常用生物医学

专业数据库及生物信息学资源介绍

毛杰利
中国科学技术大学图书馆

目录

1. 馆购生物医学类专业数据库

2. 常用生物信息学资源

目录

1. 馆购生物医学类专业数据库

2. 常用生物信息学资源

目录

1. 馆购生物医学类专业数据库

1.1 馆购生物医学类专业数据库—入口

1.2 图书馆正式购买/试用 专业数据库目录

1.3 图书馆正式购买专业数据库介绍

1.1 馆购生物医学类专业数据库—入口

1.2 图书馆正式购买/试用中专业数据库目录

正式购买：

- AMA美国医学会
- Bentham Science 药学期刊全文数据库
- ClinicalKey全医学平台全库
- CSHL [美国冷泉港生物实验室]
- Faculty of 1000
- JoVE（实验视频期刊）
- NEJM新英格兰医学杂志
- SpringerProtocols实验室指南数据库
- Thieme journal
- Begell
- Cell Press
- CSD剑桥晶体数据库
- Handbook of Porphyrin Science
- Methods in Enzymology
- SciFinder

试用：

- ClinicalKey Student 精英医学教育数据库
- NEJM Evidence期刊
- BMJ英国医学杂志平台
- BMJ Research to Publication（BMJ医学研究设计与医学论文发表）
- Complete Anatomy 3D解剖软件
- Osmosis数据库
- Taylor & Francis医学期刊数据库

1.3 图书馆正式购买专业数据库--AMA美国医学会

- 美国医学会（American Medical Association，简称AMA）是世界上三大医学会（美国医学会、英国医学会、加拿大医学会 ）之一，创建于1847 年，在医学领域拥有很高的地位。美国医学会学术出版平台是对医学成果最快最好的宣传平台之一，出版众多高影响力的期刊用于学术交流，是一个汇集各种医学专业观点的平台，在塑造医学发展的未来方面起到重要作用。
- 访问内容：JAMA现刊全库
- 访问链接：https://jamanetwork.com/
- 访问方式：IP控制，无并发用户限制
- 数据库期刊简介、期刊列表和使用指南在线浏览和下载链接如下：

  https://www.igroup.com.cn/american-medical-association/

- JAMA数据库语音课件在线观看和下载链接如下：

  https://zdrv.com.cn/ij96zV

《JAMA》的全称是《The Journal of the American Medical Association》，中文名称是《美国医学学会杂志》

出版物

涵盖学科：综合医学，内科学，肿瘤领域，心血管科学，外科学等医学学科

Title	刊名	2020年影响因子
JAMA Cardiology	《心脏病学纪要》	14.676
JAMA Dermatology	《皮肤病学纪要》	10.282
JAMA Internal Medicine	《内科学纪要》	21.873
JAMA Neurology	《神经病学纪要》	18.302
JAMA Oncology	《肿瘤学纪要》	31.777
JAMA Ophthalmology	《眼科学纪要》	7.389
JAMA Otolaryngology—Head & Neck Surgery	《耳鼻喉科学文献集：头和颈外科学》	6.223
JAMA Pediatrics	《儿科学与青少年疾病文献集》	16.193
JAMA Psychiatry	《精神病学纪要》	21.596
JAMA Surgery	《外科学纪要》	14.766

JAMA的10本子刊中有8本影响因子超过10！

5 minutes

练习①：检索JAMA-JOURNAL OF THE AMERICAN MEDICAL ASSOCIATION期刊2021年的JCR 影响因子

练习①：

JAMA-JOURNAL OF THE AMERICAN MEDICAL ASSOCIATION

期刊影响因子 ™

2021

157.335

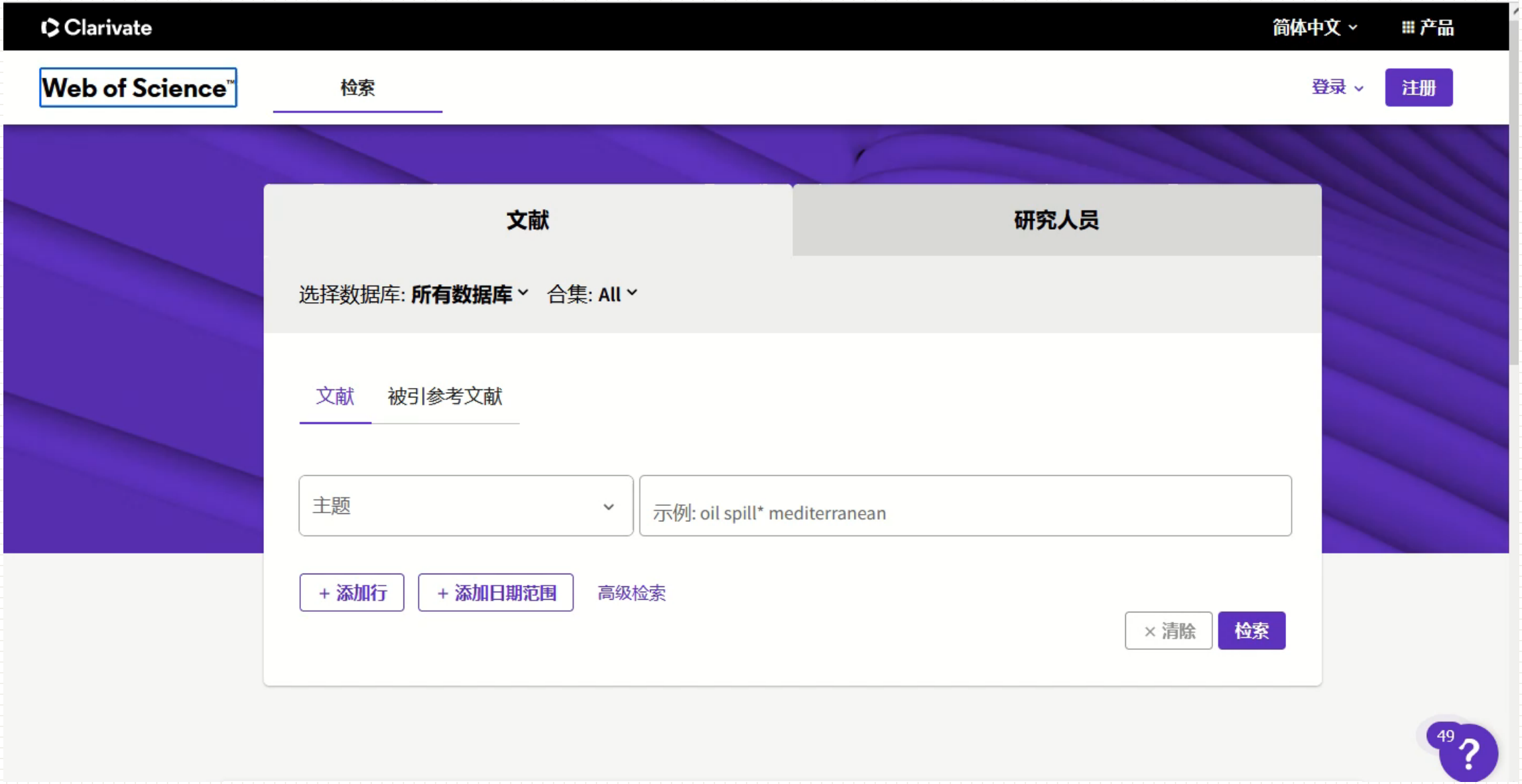
五年

101.13

JCR 学科类别	类别排序	类别分区
MEDICINE, GENERAL & INTERNAL *其中 SCIE 版本*	3/172	Q1

来源: Journal Citation Reports ™ 2021

练习①视频：


Clarivate
简体中文
产品
Web of Science
检索
登录
注册
文献
研究人员
选择数据库: 所有数据库
合集: All
文献
被引参考文献
主题
示例: oil spill* mediterranean
+ 添加行
+ 添加日期范围
高级检索
× 清除
检索
49

1.3 图书馆正式购买专业数据库--AMA美国医学会

AMA主页

AMA美国医学会----图书馆入口

中国科学技术大学 University of Science and Technology of China 图 书 馆

登录个人图书馆 | English | 联系我

中国科学技术大学 University of Science and Technology of China 图 书 馆

服务指南 电子资源 查找文献 讲座培训 党建园地 本馆概况

首页 » 数据库地图 » 外文电子期刊

AMA美国医学会

点击访问

美国医学会（American Medical Association，简称AMA）是世界上三大医学会之一，创建于1847 年，拥有会员30 多万名，在医学领域拥有很高的地位。美国医学会通过不懈的努力，始终致力于促进医疗艺术、科学的发展和更好的改善公共健康。美国医学会拥有众多最顶尖的、具备高超技能和丰富知识的医学人才，通过他们良好的协调工作，利用金融资源和有影响力的政府资源引领改革和转型，促进医学的创新与变革。美国医学会学术出版平台是对医学成果最快最好的宣传，出版众多高影响力的期刊用于学术交流，是一个汇集各种医学专业观点的平台，在塑造医学发展的未来方面起到重要作用。

访问内容：JAMA现刊全库

访问链接：https://jamanetwork.com/

访问方式：IP控制，无并发用户限制

数据库期刊简介、期刊列表和使用指南在线浏览和下载链接如下：

https://www.igroup.com.cn/american-medical-association/

JAMA数据库语音课件在线观看和下载链接如下：

https://zdrv.com.cn/ij96zV

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Bentham Science 药学期刊全文数据库

- Bentham Science出版公司，作为国际STM出版社之一，2022年出版127种期刊，截止2021年底出版千余种电子书，以及39种同行评审的OA期刊。Bentham Science出版的专利类期刊，是全球仅有的专利评论期刊。
- Bentham Science出版物**学科范围**：

药学（药物化学、药物分析、药理学、药剂学、天然药物化学、药物代谢、临床药学、毒理学、药物治疗、药用有机化学、无机化学和分析化学、组合化学、化学生物学、生物活性和基因疗法、临床合理用药、光（色）谱学、药靶及筛选、药物安全以及各类药物的研发、设计、合成）

医学（分子医学、免疫学、生物化学、生物技术、生物信息以及心血管系统、呼吸系统、内分泌系统、肿瘤系统、感染疾病、老年疾病、变态反应等全身性疾病的药物治疗、干细胞治疗）

专利（药物研发、设计、发明、配方、生物标记、生物工程、基因序列）等。

国际STM出版社

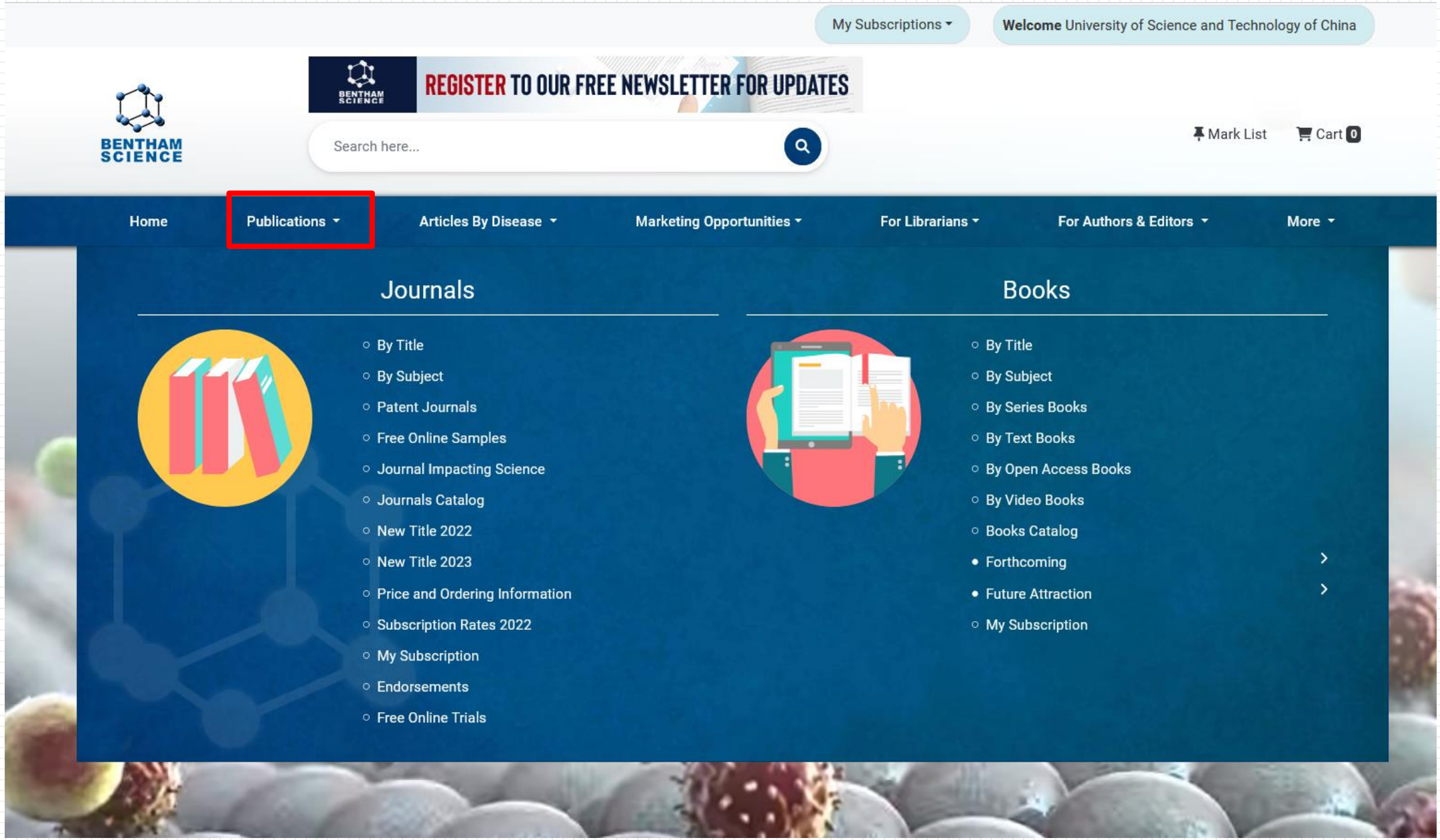
- 国际科学技术与医学出版商协会(International Association of Scientific，Technical and Medical Publishers，简称STM协会)
- 2022年，清华大学出版社加入国际科学技术与医学出版商协会(International Association of Scientific，Technical and Medical Publishers，简称STM协会)，是目前国内首家成为STM会员的大学出版社。
- STM协会是全球领先的学术交流行业协会，旗下有来自21个国家的140多名会员，如国际著名出版商Springer Nature、Elsevier、Wiley等均为其会员。

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Bentham Science 药学期刊全文数据库

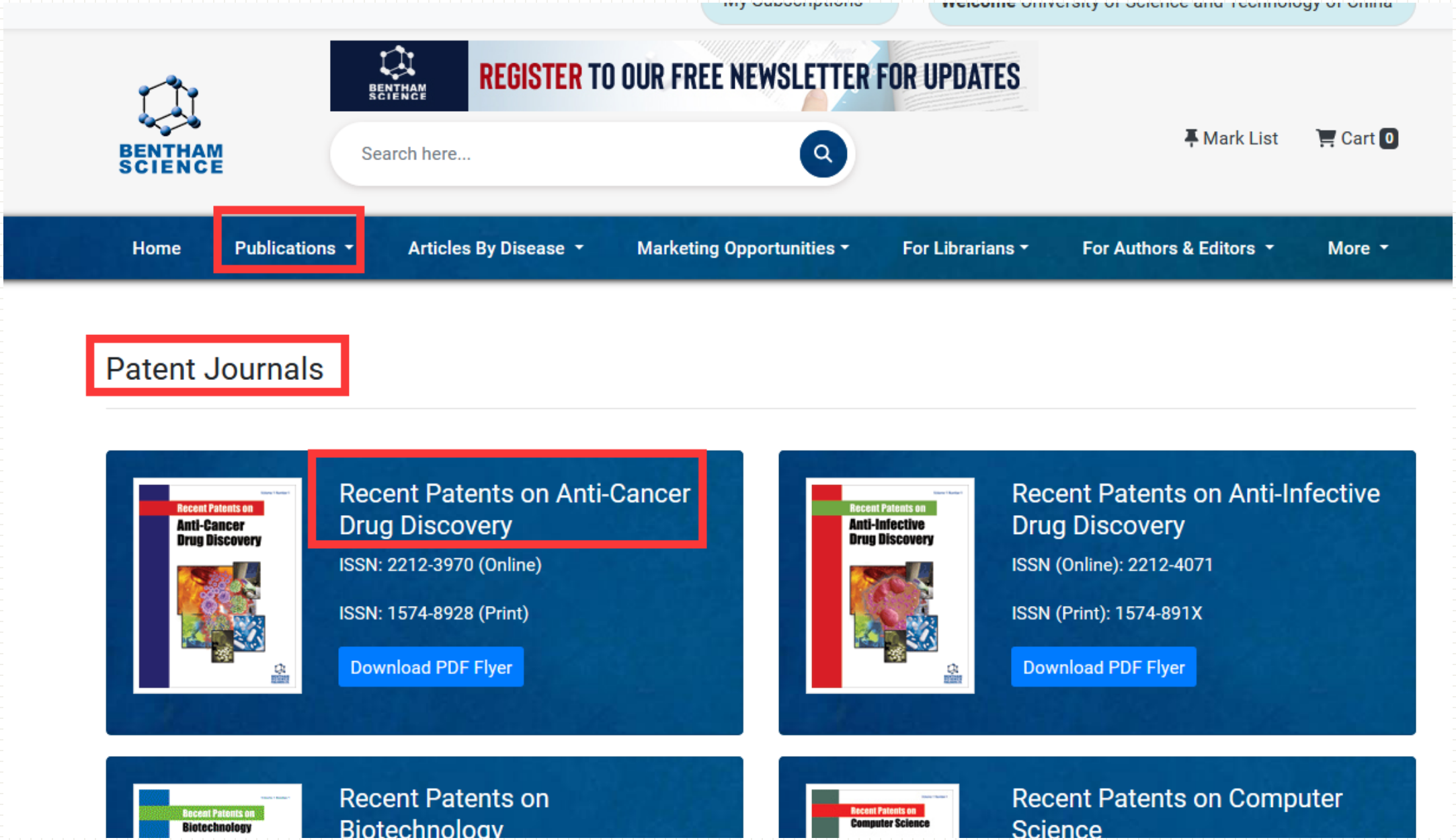
- **访问地址**：www.eurekaselect.com
- **代表性期刊如下：**

Titles	刊名	Impact Factor
Current Neuropharmacology	当今神经药理学	7.363
Current Medicinal Chemistry	当今医药化学	4.53
Current Gene Therapy	当今基因疗法	4.391
CNS & Neurological Disorders – Drug Targets	中枢神经系统与神经紊乱-药靶	4.388
Recent Patents on Anti-Cancer Drug Discovery	抗感染药物发现的最新进展	4.169

Bentham Science数据库主页



Bentham Science数据库专利期刊



Bentham Science数据库----图书馆入口

数据库地图

首页 » 数据库地图 » 外文电子期刊

Bentham Science 药学期刊全文数据库

点击访问

访问地址：www.eurekaselect.com

Bentham Science出版公司，作为国际STM出版社之一，2022年出版127种期刊，截止2021年底出版千余种电子书，以及39种同行评审的OA期刊。Bentham Science出版的专利类期刊，是全球仅有的专利评论期刊。

Bentham Science众多著名期刊编委都是所在领域的关键意见领袖，所有期刊均被权威文摘/索引机构收录，如SCOPUS, Clarivate Analytics, PubMed, Medline, CA, Reaxys, EI, JSTOR, INSPEC, EMBASE, BIOSIS Previews, CSA/ProQuest等等，能帮助投稿作者充分实现其研究能力。Bentham Science出版的高品质出版物获得诸多诺贝尔奖获得者和杰出科学家的支持和推荐，并竭力为用户提供优厚的折扣、便捷的访问模式，全球用户包括许多国际学术联盟以及知名药企。

Bentham Science出版物学科范围：**药学**（药物化学、药物分析、药理学、药剂学、天然药物化学、药物代谢、临床药学、毒理学、药物治疗、药用有机化学、无机化学和分析化学、组合化学、化学生物学、生物活性和基因疗法、临床合理用药、光（色）谱学、药靶及筛选、药物安全以及各类药物的研发、设计、合成）、**医学**（分子医学、免疫学、生物化学、生物技术、生物信息以及心血管系统、呼吸系统、内分泌系统、肿瘤系统、感染疾病、老年疾病、变态反应等全身性疾病的药物治疗、干细胞治疗）、**专利**（药物研发、设计、发明、配方、生物标记、生物工程、基因序列）等。

代表性期刊如下：

Titles	刊名	Impact Factor
Current Neuropharmacology	当今神经药理学	7.363
Current Medicinal Chemistry	当今医药化学	4.53
Current Gene Therapy	当今基因疗法	4.391
CNS & Neurological Disorders – Drug Targets	中枢神经系统与神经紊乱-药靶	4.388
Recent Patents on Anti-Cancer Drug Discovery	抗感染药物发现的最新进展	4.169

1.3 图书馆正式购买专业数据库—ClinicalKey全医学平台全库

- **ClinicalKey由Elsevier出品，是全球内容最丰富的医学平台之一，涵盖全部医学专科，内容含图书、期刊、循证、视频、指南等12类资源：**
- **全文期刊 Journal**

670多种全文期刊，其中SCI 收录460多种，包括**the Lancet(2021IF=202.731)**系列、European Urology（欧洲泌尿外科 2021 IF=24.267）系列等顶级期刊

- **北美临床系列期刊 Clinics**

北美临床系列期刊：50多种，收录最新最精的针对临床疑难文章的专家综述

- **电子图书 Book**

1,000多种医学图书，包括临床参考书和医学教科书，涵盖基础和临床医学所有专科

- **Medline 医学文摘**

2,400多万条医学文摘，涵盖全球最核心的5,600多种医学期刊

1.3 图书馆正式购买专业数据库—ClinicalKey全医学平台全库

- **操作视频 Procedures Consult**

  临床操作视频：300多个，并配有文字、图解等诠释操作流程和关键点，源于Procedures Consult数据库

- **医学视频 Video**

  30,000多个涵盖内、外、妇、儿各医学专科及教学、实验视频，及新上线部分Expert Consult视频资源内容

- **影像图片 Image**

  300多万张医学影像、照片、图片、图表等

- **临床概览 Clinical Overview**

  800多个以疾病为主题的循证专论

1.3 图书馆正式购买专业数据库—ClinicalKey全医学平台全库

- **药物专论 Drug Monograph**

  2,500多个以药物为主题的专论，来源于Gold Standard’s monographs

- **临床试验 Clinical Trials**

  160,000多个来源于美国国立卫生研究院（NIH）在全球范围的注册的临床试验

- **诊疗指南 Practice Guideline**

  5,000多份权威诊疗指南，来源于欧美的专业学、协会

- **患者教育 Patient Education**

  9,000多份患者教育讲义，来源于ExitCare LLC、Gold Standard、AAFP等机构和权威著作

访问网址： https://www.clinicalkey.com

ClinicalKey全医学平台全库 主页

ClinicalKey

ELSEVIER

中文 (Simplified) CME/MOC 登录 注册

Search for conditions, treatments, drugs, books, journals, and more

所有类型 Type your search Search

所有类型
图书
期刊
Clinical Overviews
临床试验
Drug Class Overviews
药物专论
临床指南
患者教育
多媒体
操作视频
Clinical Calculators
临床聚焦

Diag your patients with confidence

Clini
Comp
summ

药物专论
Drug and dosing information to guide treatment

计算器
Interactive tools to support clinical decisions

Drug Class Overviews
Identify best treatment options within a drug class

临床
Latest
leadir

患者教育
Educate and empower your patients

Dee alty and medical knowledge

图书
Browse our collection of

期刊
Browse our collection of

操作视频
Watch videos that demonstrate

多媒体
Image and video collection

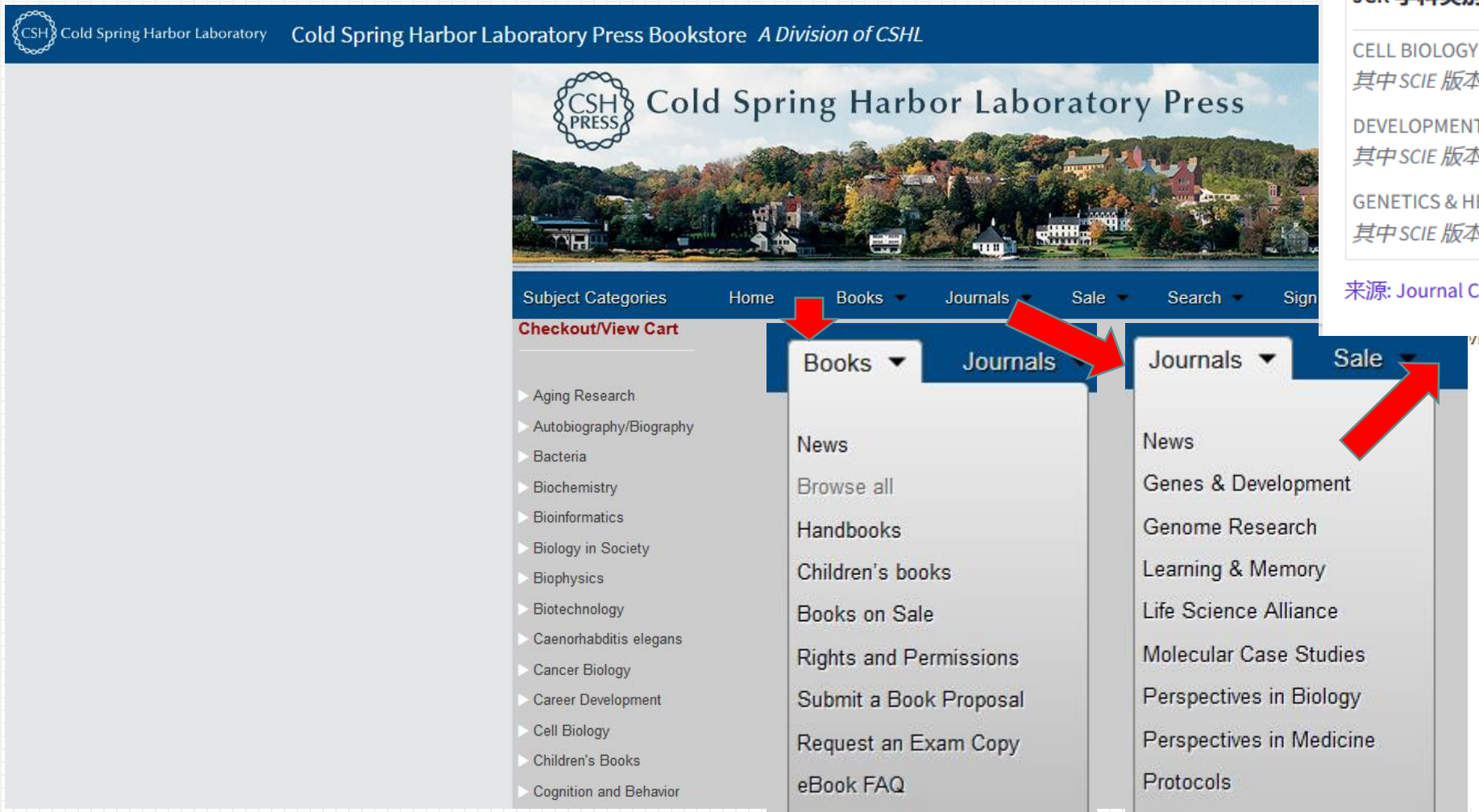
1.3 图书馆正式购买专业数据库—ClinicalKey全医学平台全库

扫描下方二维码：关注爱思唯尔医学苑微信公众号——教您如何使用ClinicalKey产品

1.3 图书馆正式购买专业数据库—CSHL [美国冷泉港生物实验室]

- CSHL被称为**世界生命科学的圣地与分子生物学的摇篮**，名列世界影响最大的十大研究院榜首。冷泉港出版社因出版名家名著在全球享有盛誉，都具有非常高的影响因子，可以在线使用其期刊和实验室指南。

1.3 图书馆正式购买专业数据库——CSHL [美国冷泉港生物实验室]



GENES & DEVELOPMENT

期刊影响因子™

2021	五年
12.89	13.623

JCR 学科类别	类别排序	类别分区
CELL BIOLOGY *其中 SCIE 版本*	23/194	Q1
DEVELOPMENTAL BIOLOGY *其中 SCIE 版本*	2/39	Q1
GENETICS & HEREDITY *其中 SCIE 版本*	8/175	Q1

来源: Journal Citation Reports ™ 2021

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Faculty of 1000

- **F1000**(Faculty of 1000) 是由英国**BioMed Central出版**的为**生物学及医学研究人员**提供评估服务的二次文献数据库。包括生物学（Biology）和医学（Medicine）两大系列。 其目的是给生命科学研究者提供一个**新的评价体系**，而不仅仅依赖于是否被SCI收录。
- **F1000包含三个平台**：F1000Prime、F1000Research和F1000Workspace。

一、F1000Prime：由高水平的专家团队对PubMed收录的全部文章进行筛选，挑选并推荐其中重要的文章；推荐的文章覆盖生物学、医学中的44个领域，3700多本期刊。

1. Article Recommendations: 遴选出近期某领域研究中有着重要价值和意义的文章，并从意义、创新点、方法等方面进行评价。

2. Rankings: 对选出的文章进一步分级，按照推荐分数和浏览量进行排序。

3. F1000Prime reports (F1000 Faculty Reviews): 就近期某一生物学和医学内容的热门研究提供同行评议报告。

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Faculty of 1000

4. F1000Faculty: 及时获得生物、医学某一领域的专家信息及其做出的评论。

5. Blog: 即时发布各领域动向、观点、研究方法、文章排行、趣味新闻等。

二、F1000Research

F1000Research是一个开放性的出版平台，提供海报、幻灯片和科研论文即时并且无源于编辑偏见的出版。所有文章受益于透明的同行评审，并公开所有的原始数据。

三、F1000Workspace

为科学家提供的一个收集、编写和讨论科学文献的工作平台。

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Faculty of 1000

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Faculty of 1000

作用

- 利用F1000 Prime解读最新科学文献
- 发现科学热点及重要文献

F1000

帮你选出重要必读

- 90%的世
- 推荐的文

Vital Signs

136,333
Expert recommendations

953
New articles a
in past 30 da

105,027
Articles recommended

4,92
Faculty Memb

3,641
Journals covered

4,148
Associate Faculty Memb

超
经

F1000 FACULTY of 1000
POST-PUBLICATION PEER REVIEW

经验告诉我们，往往对我们有所启发，真正具有指导作用的只是少量的重要文献

利用Faculty of 1000，让专家作为我们的智囊，帮我们筛选经典文献

在充满挑战的科研道路上，分享“大牛”们的宝贵经验

Faculty of 1(

.000

Faculty Opinions

ARTICLE RECOMMENDATIONS | THE FACULTY | FACULTY REVIEWS

SIGN IN/REGISTER

Find the **most important research** in Biology and Medicine

Keyword search

SEARCH

Article Recommendations

193,149 results

FILTER | ADVANCED SEARCH

Showing 1-10 of 193,149

Results per page 10

Recommendation Date

Section

按研究方向筛选

- Airway / Respiratory Physiology 914
- Anesthetic Mechanisms 1,152
- Cardiovascular Medicine in Anesthesia 1,530
- Clinical Pharmacology 1,915

Recommended 9.2

Using Patient-Reported Outcomes in Dose-Finding Oncology Trials: Surveys of Key Stakeholders and the National Cancer Research Institute Consumer Forum.

Lai-Kwon J et al. | 2022 Jun 28

Latest recommendation by: Bob Phillips | 21 Jul 2022

New Finding

Recommended 9.2

按照专家团队意见得分
对感兴趣领域文章排序

Faculty Opinions

ARTICLE RECOMMENDATIONS THE FACULTY FACULTY REVIEWS

SIGN IN/REGISTER

Find the **most important research** in Biology and Medicine

Keyword search

SEARCH

Rankings

Here you can find the top ranked articles according to the Faculty Opinions Score. View all-time or recently published rankings across Faculty Opinions or filter down to a subject area.

More about how our score is calculated

Faculty Opinic

RANKINGS

SUBSCRIBE

LIBRARIAN RESOURCE

© 2000-2022 Faculty Opin
Faculty Opinions is a trade

Faculty

Dermatology

All Faculties

Anesthesiology & Pain Management

Biochemistry

Bioinformatics, Biomedical Informatics & Computational Biology

Recommended 215.1

Global cancer statistics 2020: GLOBOCAN estimates of incidence and mortality worldwide for 36 cancers in 185 countries.

Sung H et al. | 2021 05

Latest recommendation by: Chris Halloran | 23 Mar 2022

New Finding

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Faculty of 1000

登录个人图书馆 | English | 联系我们

中国科学技术大学 University of Science and Technology of China 图 书 馆

服务指南 电子资源 查找文献 讲座培训 党建园地 本馆概况

首页 » 数据库地图

Faculty of 1000

点击访问

点击访问

使用指南

F1000(Faculty of 1000) 是由英国BioMed Central出版的为生物学及医学研究人员提供评估服务的二次文献数据库。包括生物学（Biology）和医学（Medicine）两大系列。 其目的是给生命科学研究者提供一个新的评价体系，而不仅仅依赖于是否被SCI收录。

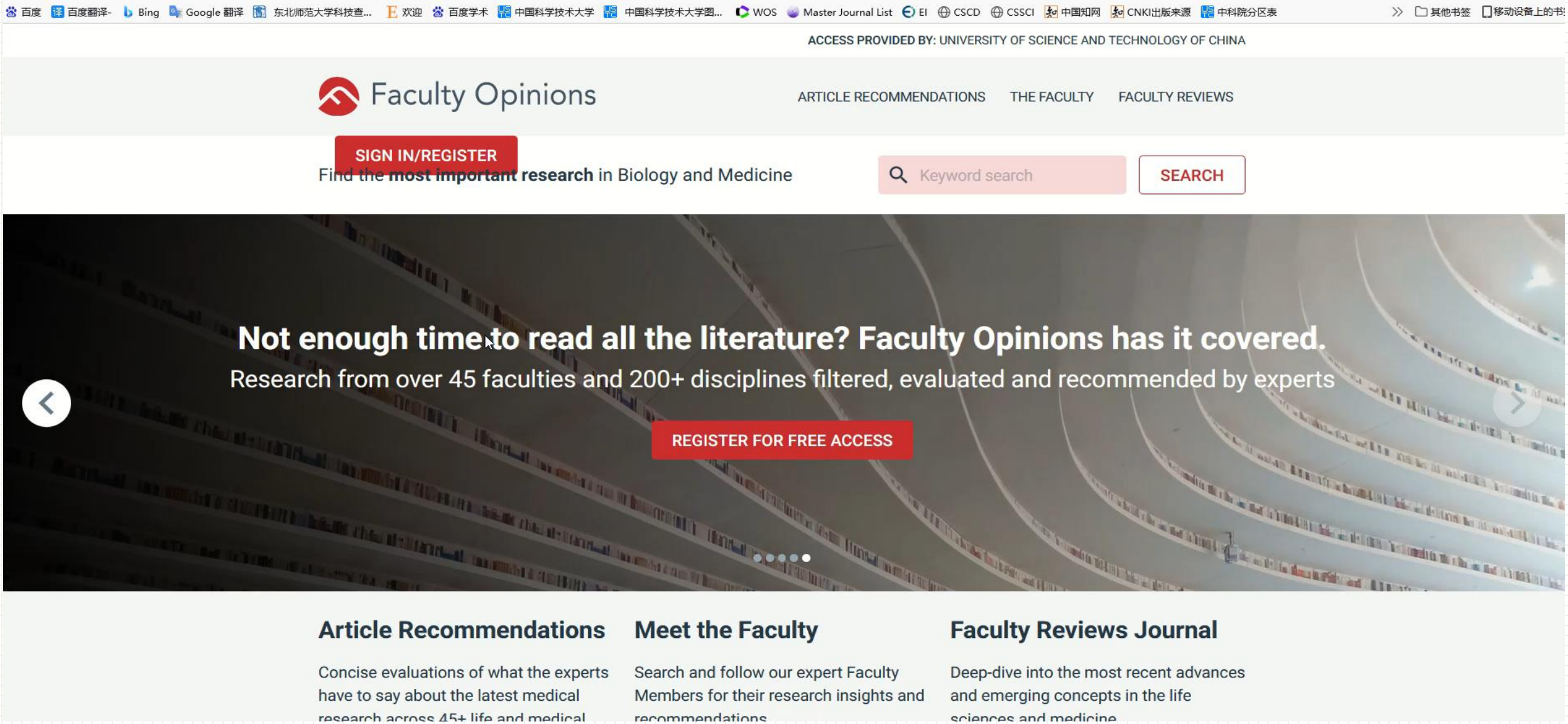
F1000包含三个平台：F1000Prime、F1000Research和F1000Workspace。

一、F1000Prime

由高水平的专家团队对PubMed收录的全部文章进行筛选，挑选并推荐其中重要的文章；推荐的文章覆盖生物学、医学中的44个领域，3700多本期刊。

1. Article Recommendations: 遴选出近期某领域研究中有着重要价值和意义的文章，并从意义、创新点、方法等方面进行评价。
2. Rankings: 对选出的文章进一步分级，按照推荐分数和浏览量进行排序。
3. F1000Prime reports (F1000 Faculty Reviews): 就近期某一生物学和医学内容的热门研究提供同行评议报告。
4. F1000Faculty: 及时获得生物、医学某一领域的专家信息及其做出的评论。
5. Blog: 即时发布各领域动向、观点、研究方法、文章排行、趣味新闻等。

演示视频：Article Recommendations (Clinical Pharmacology临床药理学)、Rankings（Cancer biology 癌症生物学）



1.3 图书馆正式购买专业数据库—JoVE（实验视频期刊）

数据库简介：

- JoVE实验视频期刊（JoVE : Journal of Visualized Experiments）是全球首例实验视频期刊，于2006 年10 月正式创刊，是第一本致力于以视频方式展现**生物学**、**医学**、**化学**、**物理**等学科领域研究过程与成果的期刊；同时也是世界首个100%经同行评审，并被PubMed/MEDLINE, Scopus, ChemAbstracts, SciFinder收录索引的视频数据库。
- JoVE实验视频期刊目前已发表来自生物、医学、化学和物理学领域超过8300名作者的4000多个实验视频，实验视频来源于哈佛大学（Harvard）、麻省理工学院（MIT）、斯坦福大学（Stanford）、耶鲁大学（Yale）、加利福尼亚大学伯克利分校（UC Berkeley）、哥伦比亚大学（Columbia）等世界著名高校及学术研究机构的实验室。
- JoVE实验视频期刊**每月出版一期**，每期约70个视频（每个视频配有一篇文章），最早可回溯至2006年。视频每日更新，保证用户能够获取最新的实验成果，了解最新的学科发展动态。

主页

jove 搜索 15,471 篇视频文章... 教师资源中心 科研 教育 发表 图书馆员 关于 登录 CN

图书馆员 | 概述 客户评价 订阅 访问权限 资源 图书馆咨询委员会 常见问题

您所在机构对JOVE 的访问权限

您的机构: University of Science and Technology of China
您的IP地址: 202.38.93.87

根据您的机构IP地址查看您的访问权限

■ = 可以访问 ■ = 无法访问

如果您想增加对JoVE的访问权限, 请通知您所在机构的图书馆..

如有任何疑问，请发送电子邮件至 subscriptions@jove.com

JoVE Research

JoVE Journal

- 行为学
- 生物化学
- 生物工程
- 生物学
- 癌症研究
- 化学
- 发育生物学
- 工程学
- 环境科学
- 遗传学
- 免疫与感染
- 医学
- 神经科学

JoVE Encyclopedia of Experiments

JoVE（实验视频期刊）

点击访问

点击访问

JoVE使用指南

数据库简介：

JoVE实验视频期刊（JoVE : Journal of Visualized Experiments）是全球首例实验视频期刊，于2006 年10 月正式创刊，是第一本致力于以视频方式展现**生物学**、**医学**、**化学**、**物理**等学科领域研究过程与成果的期刊；同时也是世界首个100%经同行评审，并被PubMed/MEDLINE, Scopus, ChemAbstracts, SciFinder收录索引的视频数据库。

JoVE实验视频期刊目前已发表来自生物、医学、化学和物理学领域超过8300名作者的4000多个实验视频，实验视频来源于哈佛大学（Harvard）、麻省理工学院（MIT）、斯坦福大学（Stanford）、耶鲁大学（Yale）、加利福尼亚大学伯克利分校（UC Berkeley）、哥伦比亚大学（Columbia）等世界著名高校及学术研究机构的实验室。

JoVE实验视频期刊每月出版一期，每期约70个视频（每个视频配有一篇文章），最早可回溯至2006年。视频每日更新，保证用户能够获取最新的实验成果，了解最新的学科发展动态。

1．生物（Biology）

JoVE生物专辑涉及细胞学、分子生物学及有机体生物学，视频内容包含标准技术的新应用以及创新型研究方法，涉及物理生物学、细胞生物化学、遗传学、发育学、生理学、系统生物学、真核模型

演示视频

您所在机构对JOVE 的访问权限

您的机构: University of Science and Technology of China
您的IP地址: 202.38.93.87

根据您的机构IP地址查看您的访问权限

■ = 可以访问 ■ = 无法访问

如果您想增加对JoVE的访问权限, 请通知您所在机构的图书馆..

如有任何疑问，请发送电子邮件至 subscriptions@jove.com

JoVE Research

JoVE Journal

- 行为学
- 生物化学
- 生物工程
- 生物学
- 癌症研究
- 化学
- 发育生物学
- 工程学
- 环境科学
- 遗传学
- 免疫与感染
- 医学
- 神经科学

JoVE Encyclopedia of Experiments

- Encyclopedia of Experiments: 生物学
- Encyclopedia of Experiments: 癌症研究

JoVE Education

1.3 图书馆正式购买专业数据库—NEJM新英格兰医学杂志

- **数据库简介：**MMS(马萨诸塞州医学会)成立于1781年，是美国历史最悠久的医学会之一，由它出版的新英格兰医学杂志(NEJM)是世界上覆盖面最广、影响最大的医学期刊之一。其同行评议的原创文章以医生及对医疗实践感兴趣的人士为目标群体，在各个医学专业的期刊中广泛引用。期刊版块包括临床医学影像、综述文章、社论、通讯以及麻省总医院（MGH）的病例记录。**新英格兰医学杂志的2021年IF为176.079，是世界上影响因子最高的医学期刊之一。**新英格兰医学杂志(NEJM)可通过Ovid 访问其当前内容，而且无任何限制。Ovid 上的新英格兰医学期刊提供在超过 125 个领域内具有里程碑意义的研究、临床见解和医学突破。通过极其严格的同行评审及编辑处理环节评估新英格兰医学期刊 NEJM 原稿，以确保科学准确性、新颖性及重要性。
- 访问内容：NEJM, NEJM Catalyst, NEJM Journal Watch
- 访问链接：

NEJM：https://www.nejm.org/

NEJM Journal Watch：https://www.jwatch.org/

NEJM Catalyst: https://catalyst.nejm.org/

1.3 图书馆正式购买专业数据库—

-

数
http
NE
http

NEJM GROUP

MMS (马萨诸塞州医学会)

MMS(马萨诸塞州医学会)成立于1781年，是美国历史最悠久的医学会之一，致力于为马萨诸塞州及全球的医生提供教育与专业医疗支持，学会拥有25,000多名医生和会员。作为卫生保健领域的领导者，学会支持公共卫生事业，关注医生福利，并提供医生执业管理方面的专业建议。

官方网站

产品介绍 资料下载

相关资讯

- NEJM数据库期刊简介
- NEJM数据库使用指南
- NEJM数据库期刊列表
- NEJM Catalyst期刊简介
- NEJM Journal Watch期刊简介
- NEJM Evidence期刊简介
- NEJM数据库校外访问功能

数据库期刊简介、期刊列表和使用指南在线浏览和下载链接如下：https://www.igroup.com.cn/massachusetts-medical-society

1.3 图书馆正式购买专业数据库—NEJM新英格兰医学杂志

- **The New England Journal of Medicine**——经同行评审的医学期刊和全科医学周刊，出版生物医学科学与临床医学领域具有重要意义的医学研究新成果、综述文章等，是世界医学发展前沿的风向标
- **NEJM Evidence**——NEJM集团于2022年1月10日上线的新电子月刊，在临床试验设计和临床决策方面呈现创新的研究方式和大胆的想法，为医疗从业者提供更多的支持和批判性评审，以便更好得完成临床决策
- **NEJM Journal Watch**——总结并深入研究了13个专业领域中最重要的研究、医学新闻和指南，为临床医师获取重要的医学发展信息，节省大量的时间
- **NEJM Catalyst**——主要包含医疗行业专家文章、案例研究、专业报告和访谈等，为卫生保健领域的专业人士提供最前沿的信息，更好地改善患者护理

1.3 图书馆正式购买专业数据库—SpringerProtocols实验室指南数据库

- **数据库简介**：SpringerProtocols实验室指南数据库主要面向生物化学、分子生物学、以及生物医学等学科，提供详细、精确的**实验操作记录。** 并可在实验室再现的“配方”或“方法”，包括按部就班的操作步骤、实验必需的原材料清单（原材料包括化学成分、硬体、软体等等），以及注释和提醒，提醒实验员在实验过程中需要注意的事项，以及如何解决问题。

- 其作者**John M.Walker是Protocol的鼻祖**，他是第一位通过生物医学实验室指南(Protocol)按部就班地介绍实验方法，并使其成为标准的人。几十年来，分子生物学领域的学者们一直依赖着由Walker博士编辑的实验室研究指南：《分子生物学方法》(Methods in Molecular Biology)。这些内容经受了非常严格的实践检验，倍受研究人员称赞。

1.3 图书馆正式购买专业数据库—SpringerProtocols实验室指南数据库

- **SpringerProtocols应用领域**：

生物科学：干细胞，蛋白生物学，遗传/基因科学，生物信息学，神经系统科学，药物遗传学，免疫化学，生物工艺学

分子医学：癌症分子诊断学，传染病学，疫苗学，基因治疗

生物科学：制药，益生酶制造，营养学，杀虫剂侦测，蛋白质医学检测分子技术

环境科学：环境监控

农业：食物源病原体研究，杀虫剂侦测

化学：免疫化学，高分子化学及化学工程

1.3 图书馆正式购买专业数据库—SpringerProtocols实验室指南数据库

基于新型冠状病毒肺炎疫情的科研工作需要，SpringerProtocols数据库也包括如以下冠状病毒相关实验室指南：

1.Coronaviruses: Methods and Protocols《冠状病毒：方法与实验操作》
Editors: Maier, Helena, Bickerton, Erica, Britton, Paul (Eds.)
编者：海伦娜·迈尔、埃丽卡·比克顿和保罗·布里顿
ISBN: 978-1-4939-2437-0
https://link.springer.com/book/10.1007/978-1-4939-2438-7
系列名：分子生物学研究方法
2.Animal Coronaviruses《动物冠状病毒》
编者：王乐怡（Wang, Leyi）
ISBN：978-1-4939-3412-6
系列名：施普林格实验操作手册
https://link.springer.com/book/10.1007/978-1-4939-3414-0
3.SARS- and Other Coronaviruses Laboratory Protocols
《SARS和其他冠状病毒：实验操作》
Editors: Cavanagh, Dave (Ed.)
ISBN：978-1-58829-867-6
系列名：分子生物学方法论
https://link.springer.com/book/10.1007/978-1-59745-181-9

视频举例：in vivo imaging mouse

百度 百度翻译- Bing Google 翻译 东北师范大学科技查... 欢迎 百度学术 中国科学技术大学 中国科学技术大学图... WOS Master Journal List EI CSCD CSSCI 中国知网 CNKI出版来源 中科院分区表 其他书签 移动设备上的书

登录个人图书馆 | English | 联系我们

中国科学技术大学 University of Science and Technology of China 图 书 馆

服务指南 电子资源 查找文献 讲座培训 党建园地 本馆概况

首页 » 数据库地图 » 外文电子期刊

SpringerProtocols实验室指南数据库

点击访问

访问方式：

登录网址：https://link.springer.com/search?facet-content-type=%22Protocol%22，或者直接登录Springer Nature Experiments平台：http://experiments.springernature.com

使用范围：校园网和VPN用户

Springer Protocols 用户指南

数据库简介

SpringerProtocols实验室指南数据库主要面向生物化学、分子生物学、以及生物医学等学科，提供详细、精确的实验操作记录。 并可在实验室再现的“配方”或“方法”，包括按部就班的操作步骤、实验必需的原材料清单（原材料包括化学成分、硬体、软体等等），以及注释和提醒，提醒实验员在实验过程中需要注意的事项，以及如何解决问题。

其作者John M.Walker是Protocol的鼻祖，他是第一位通过生物医学实验室指南(Protocol)按部就班地介绍实验方法，并使其成为标准的人。几十年来，分子生物学领域的学者们一直依赖着由Walker博士编辑的实验室研究指南：《分子生物学方法》(Methods in Molecular Biology)。这些内容经受了非常严格的实践检验，倍受研究人员称赞。

SpringerProtocols应用领域：

生物科学：干细胞，蛋白生物学，遗传/基因科学，生物信息学，神经系统科学，药物遗传学，免疫化学，生物工艺学

分子医学：癌症分子诊断学，传染病学，疫苗学，基因治疗

生物科学：制药，益生酶制造，营养学，杀虫剂侦测，蛋白质医学检测分子技术

环境科学：环境监控

农业：食物源病原体研究，杀虫剂侦测

323 results for "In Vivo Imaging MOUSE"

Concepts identified: Technique: In Vivo Imaging ✕ Organism: Mus Musculus ✕

Source: Methods In Molecular Biology ⊗ Neuromethods ⊗ Methods In Molecular Medicine ⊗ Methods In Pharmacology and Toxicology ⊗ Springer Protocols Handbooks ⊗

过滤器

排序规则

Publication Year

2004 2022

Technique Show more

Search for technique

- Cell And Tissue Culture 134
- Surgery 94
- Intraperitoneal Injection 80
- Fluorescence Microscopy 72
- Transfection 60
- Dissection 58
- Image Analysis 57
- Optical Imaging 53

Relevance | Most recent | Most cited | Trending

Show images

Springer Protocols (2016) **Protocol**

Series: Methods In Molecular Biology > **Book:** In Vivo Fluorescence Imaging

In Vivo Fluorescence Reflectance Imaging with Subcutaneous Mouse Tumor Models

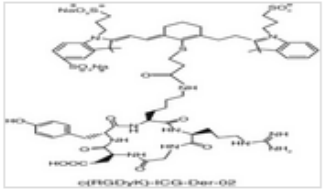
Jie Cao, Mingzhou Zhou

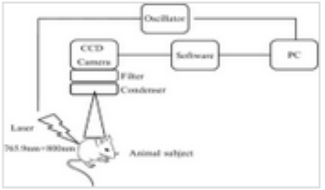
Optical imaging is undoubtedly one of the most versatile and widely used imaging techniques in both research and clinical practice. Among optical imaging technologies, fluorescence imaging is the most popularly used and has become an essential tool ...more

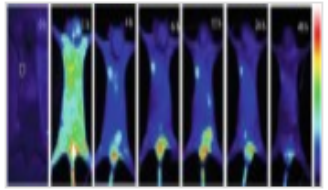
Techniques: Fluorescence Microscopy, Optical Imaging, Imaging Techniques, In Vivo Imaging, Near Infrared Spectroscopy and Imaging (NIRS)... 3 more

Models: Mus musculus

Citations: 2 | Downloads: 2,063







1.3 图书馆正式购买专业数据库—Thieme journal

- **数据库简介**：德国Thieme出版社是一家拥有百年历史的医学和科学出版社，致力于为临床医师、教师、学生和科研人员提供高品质的出版物。Thieme出版物的内容专注于医学和有机合成化学领域。现在为我校开通化学与药学5种期刊Chemistry/Pharmaceutical eJournal Package。其中**Synthesis和Synlett两种期刊可访问近5年的回溯数据。**
- **访问网址**：http://www.thieme-connect.com/ejournals

Thieme Chemistry and Pharmaceutical E-Journals

Thieme化学与药学期刊介绍

Synfacts：于2005年7月出版发行的评论性期刊，报导合成有机化学领域最近2个月内的科研成果和趋势。

Planta Medica：发表有关植物药理学、植物化学、生物化学、生理学、遗传学、生药学及疗效等方面的研究论文、快报、评论和简讯。

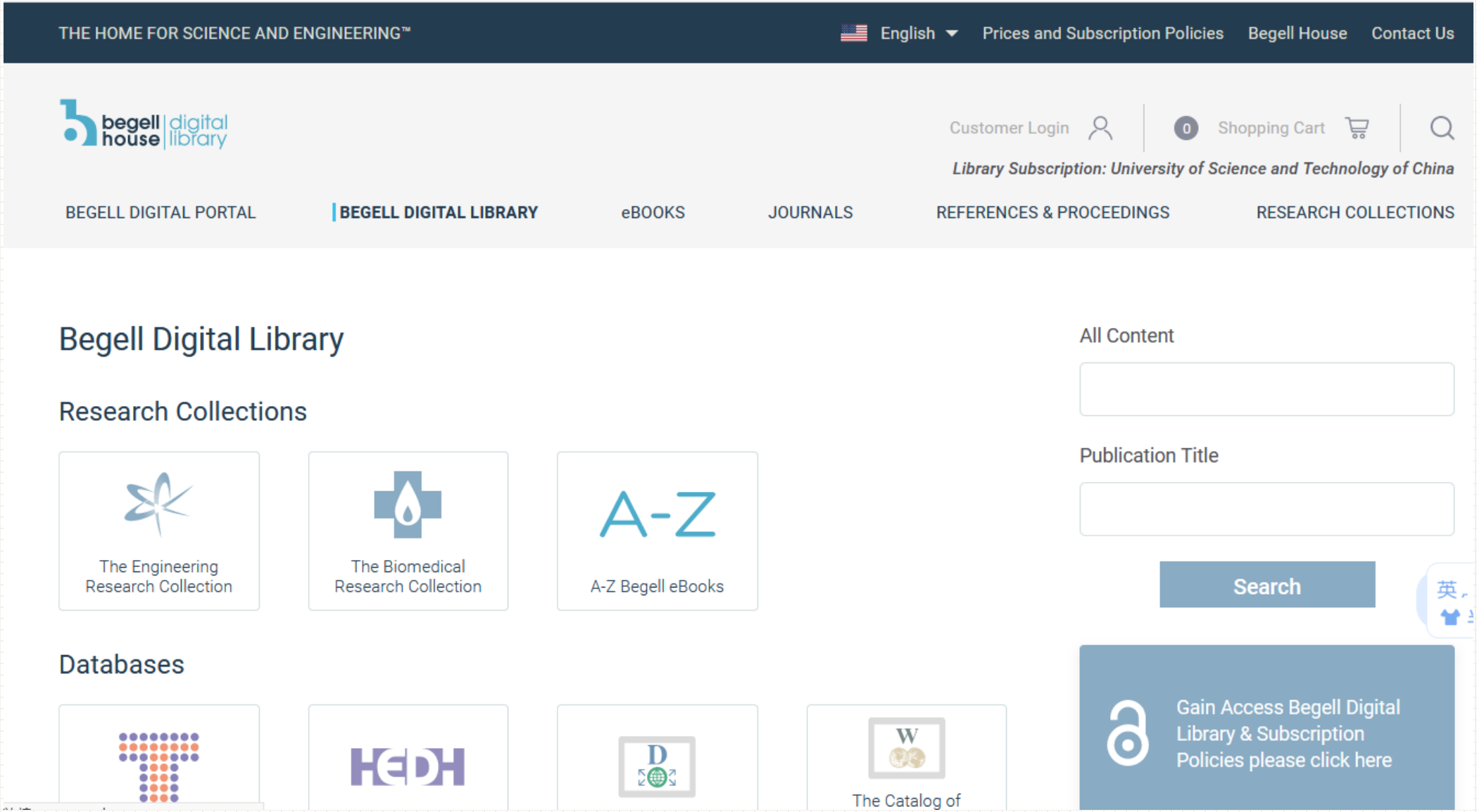
Pharmacopsychiatry：主要刊载临床心理药理学，包括药物的心理测验方法与准则、药物疗效判断、锂研究新成果、药物不良反应研究方面的论文和快报。

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Thieme journal

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Begell

- **数据库简介**：Begell House出版社是一家学术出版机构，提供工程技术与生物医药科学应用方面最新的研究成果及相关信息。
- **访问网址**：https://www.dl.begellhouse.com
- 科大目前购买的工程研究选集，包括27种期刊全文、13种电子书、2种会议录文献、4种在线数据库和2个参考资源，涉及热能工程、纳米、能源、环境、核科学、动力工程、材料、无线电通讯等学科，汇集了30多年来热能与流体科学领域最先进的理论和工程应用研究成果。传热传质渗透到诸多基础学科和诸多工程领域。

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Begell 主页



1.3 图书馆正式购买专业数据库—Cell Press

- **数据库简介**：包括Cell, Neuron等14种前沿学术期刊，这些期刊文章被广泛引用，是公认的了解生物医学最新学术成果的必读文献。通过Elsevier的ScienceDirect平台访问全文。
- **访问网址**：https://www.sciencedirect.com/

  主站 Cell Press：https://www.cell.com/about

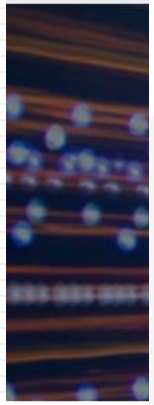
1.3

CellPress

Submit Log in Register Subscribe Claim

About us ↓ Our mission ↓ Our focus ↓ Our values ↓ Our journals ↓

Science tha



Our journals

Research journals

Cell
Cancer Cell
Cell Chemical Biology
Cell Genomics
Cell Host & Microbe
Cell Metabolism
Cell Reports
Cell Reports Medicine
Cell Reports Methods
Cell Reports Physical Science
Cell Stem Cell
Cell Systems
Chem
Chem Catalysis
Current Biology
Developmental Cell
Heliyon
Immunity
iScience
Joule
Matter
Med
Molecular Cell
Neuron
One Earth
Patterns
STAR Protocols
Structure

Trends reviews journals

Biochemical Sciences
Biotechnology
Cancer
Cell Biology
Chemistry
Cognitive Sciences
Ecology & Evolution
Endocrinology & Metabolism
Genetics
Immunology
Microbiology
Molecular Medicine
Neurosciences
Parasitology
Pharmacological Sciences
Plant Science

Partner journals

AJHG
Biophysical Journal
Biophysical Reports
HGG Advances
Molecular Plant
Molecular Therapy family
Plant Communications
Stem Cell Reports
The Innovation

1.3 图书馆正式购买专业数据库—CSD剑桥晶体数据库

数据库简介：

- 剑桥晶体数据中心(CCDC, Cambridge Crystallographic Data Centre)自1965年起就从事晶体数据的收集、整理与计算机化工作。该中心发展的剑桥结构数据库CSD(The Cambridge Structural Database，简写为CSD)是基于X光和中子衍射实验唯一的小分子及金属有机分子晶体的结构数据库。
- 剑桥结构数据库收录了全世界范围内所有已认可的有机及金属有机化合物的晶体结构。通过一整套丰富的搜索与分析工具及衍生的数据库，用户可以进行分子结构，分子间相互作用以及晶胞堆积的研究，从而为许多先进领域的研究与应用提供方便。
- 剑桥结构数据库含有约1,100,000余个有机及金属有机化合物的X射线和中子射线衍射的分析数据。本数据库不仅全面涵盖了已发表的分子晶体结构，同时也独特的收录了大量在其它任何地方无法获得的分子结构数据。

1.3 图书馆正式购买专业数据库—CSD剑桥晶体数据库

访问网址

- 网页版：https://www.ccdc.cam.ac.uk/
- 客户端：在https://www.ccdc.cam.ac.uk/中点击Download CSD 2021.3，输入个人邮箱，Customer Number: 20696和Activation key(license)只有6个账号名额，建议本地版客户端版安装在有需要的实验室公共电脑上，有需要的请联系图书馆赵老师：peizhao@ustc.edu.cn，系统将会把安装链接发送到邮箱，根据需求自行安装。

使用说明：

CSD客户端下载安装及网页版登录说明

CSD剑桥结构数据介绍

网页版WebCSD https://www.ccdc.cam.ac.uk/structures/ 校内IP范围内直接使用，校外可以使用账号密码登录。请师生注意保护知识产权，切勿把帐号提供给校外人员使用。

账号：libuser 密码: Ustc1958

账号：libuser1 密码: Ustc1958

账号：libuser2 密码: Ustc1958

账号：libuser3 密码: Ustc1958

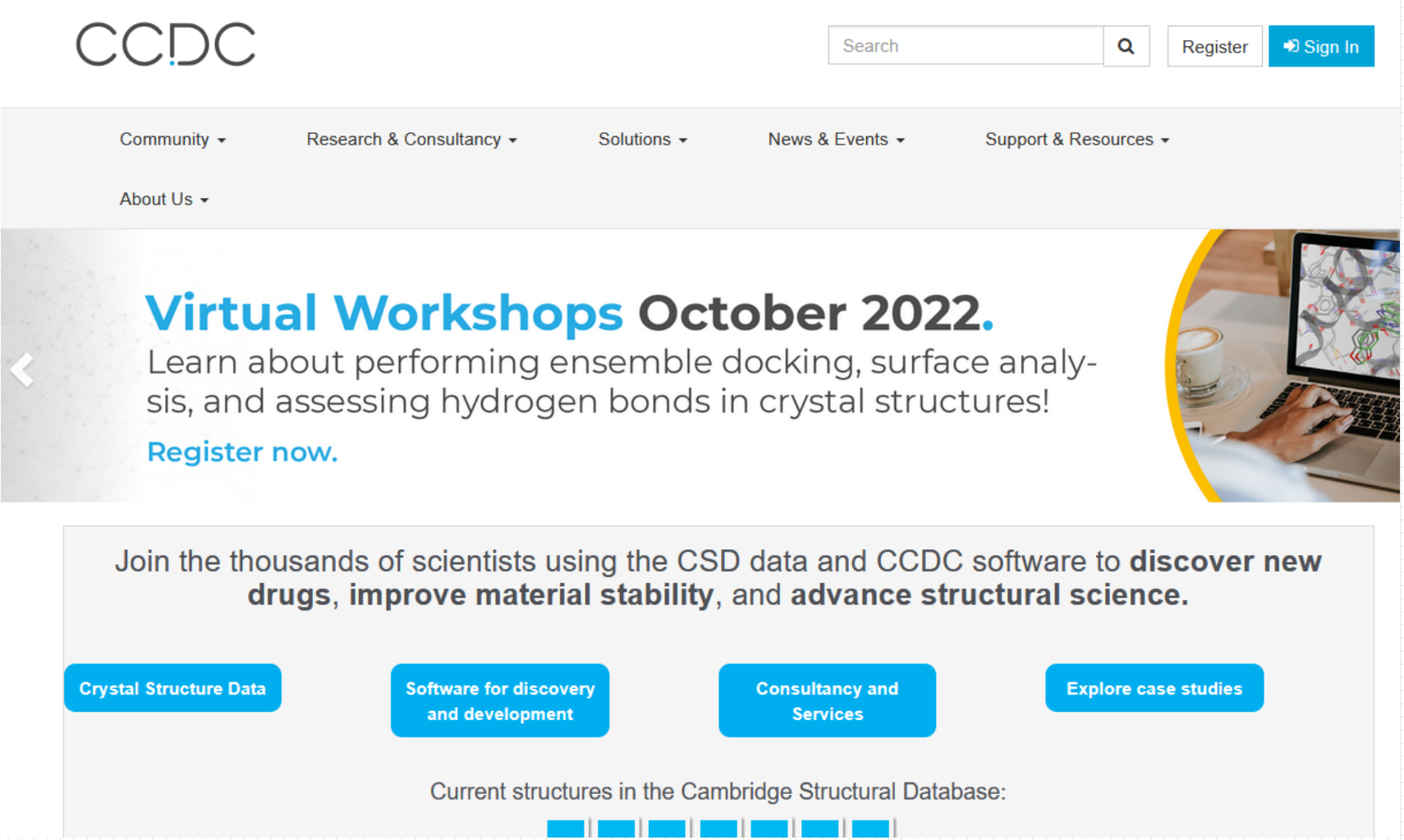
账号：libuser4 密码: Ustc1958

账号：libuser5 密码: Ustc1958

并发用户数为6个，请使用完毕后立即退出，方便后来者登录

网页版可进行 WebCSD 进阶功能的使用，也可进行 ICSD 的结构查询

1.3 图书馆正式购买专业数据库—CSD剑桥晶体数据库 主页



1.3 图书馆正式购买专业数据库—Handbook of Porphyrin Science

数据库地图

Handbook of Porphyrin Science

点击访问

Handbook of Porphyrin Science 卟啉学手册，由世界科技出版公司出版，是化学、生命科学、医学相关领域的顶尖工具手册，有很大的参考价值，目前已经出版有45卷。

该套书的主要特点：

★当前热点研究领域；

★内容涉及化学、生命科学、医学、食品工业、轻工业等广泛领域；

★卟啉学领域的“圣经”；

★由业内顶尖学者主编，邀请各分支领域领军人物或资深专家撰稿；

★不仅适合科学研究人员，对工程技术人员同样不可或缺；

★超级大套书。

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Methods in Enzymology

Methods in Enzymology

点击访问

点击访问

Methods in Enzymology酶学方法是Elsevier出版的著名电子图书，作为生物化学领域最受推崇的出版物之一，自1955年至今年已出版500多卷， 是生命科学领域—包括微生物学、生物化学、癌症研究、遗传学等方面–研究者基本而必备的参考资源。

1.3 图书馆正式购买专业数据库—SciFinder

●资源介绍

SciFinder是CA的网络版，在充分吸收原书本式CA精华的基础上，利用现代机检技术，进一步提高了化学化工文献的可检性和速检性,更整合了Medline医学数据库、欧洲和美国等50几家专利机构的全文专利资料、以及化学文摘1907年至今的所有内容。它涵盖的学科包括应用化学、化学工程、普通化学、物理、生物学、生命科学、医学、聚合体学、材料学、地质学、食品科学和农学等诸多领域。它可以透过网络直接查看“化学文摘”1907年以来的所有期刊文献和专利摘要；以及八千多万的化学物质记录和CAS注册号。

SciFinder可以检索的数据库包括：

CAPLUS（4600＋万条参考书目记录，每天更新3000条以上，始自1907年）

CAS REGISTRYSM（1.35＋亿个有机无机物质,>6700万个生物序列，每天更新约15000条，每种化学物质有唯一对应的CAS注册号，始自1957年）

CASREACT®（9850＋万条反应记录，每周更新约700-1300条，始自1840年）

CHEMCATS®（1.037＋亿条商业化学物质记录，来自840多家供应商的950多种目录）

CHMLIST®（34.8＋万种管制品化合物的详细清单，来自28个国家和国际性组织）

MARPAT （116.2+万个可检索的Markush结构，超过48.1万条专利记录）

MEDLINE（National Library of Medicine数据库，＞1700万参考书目记录，来自4800多种期刊，始自1949年）

SciFinder有多种先进的检索方式，比如化学结构式（其中的亚结构模组对研发工作极具帮助）和化学反应式检索等。它还可以通过Chemport链接到全文资料库以及进行引文链接。其强大的检索和服务功能，可以让你了解最新的科研动态，帮助你确认最佳的资源投入和研究方向。根据统计，全球95%以上的科学家们对SciFinder给予了高度评价，认为它加快了他们的研究进程，并在使用过程中得到了很多启示和创意。

1.3 图书馆正式购买专业数据库—SciFinder

1.2 图书馆正式购买/试用中专业数据库目录

正式购买：

- AMA美国医学会
- Bentham Science 药学期刊全文数据库
- ClinicalKey全医学平台全库
- CSHL [美国冷泉港生物实验室]
- Faculty of 1000
- JoVE（实验视频期刊）
- NEJM新英格兰医学杂志
- SpringerProtocols实验室指南数据库
- Thieme journal
- Begell
- Cell Press
- CSD剑桥晶体数据库
- Handbook of Porphyrin Science
- Methods in Enzymology
- SciFinder

试用：

- ClinicalKey Student 精英医学教育数据库
- NEJM Evidence期刊
- BMJ英国医学杂志平台
- BMJ Research to Publication（BMJ医学研究设计与医学论文发表）
- Complete Anatomy 3D解剖软件
- Osmosis数据库
- Taylor & Francis医学期刊数据库

1.3 图书馆试用专业数据库—动态的

试用 ClinicalKey Student 精英医学教育数据库[1638]

试用 NEJM Evidence期刊[526]

试用 BMJ英国医学杂志平台[1651]

试用 BMJ Research to Publication（BMJ医学研究设计与医学论文发

试用 Complete Anatomy 3D解剖软件[2179]

试用 Osmosis数据库[1507]

试用 Taylor & Francis医学期刊数据库[3114]

1.3 图书馆正式购买专业数据库—ClinicalKey Student 精英医学教育数据库

ClinicalKey Student 精英医学教育数据库

点击访问 我要推荐

访问网址： https://www.clinicalkey.com/student

试用时间： 即日起至2022年7月31日

访问方式： IP 范围内（师生也可通过VPN, CARSI方式校外访问， **CARSI 登陆步骤见ClinicalKey Student 使用说明**）

数据库简介

ClinicalKey Student是爱思唯尔旗下精英医学教育解决方案：

- 适用于医学、护理、牙科、药学、物理护理等医学生学习
- 数据库由浏览器访问，支持多设备及浏览器一键中文翻译
- 包括300+全球备受赞誉的英文原版教材，涵盖40个医学专业，包括Gray’s Anatomy for Students和Guyton Medical Physiology等经典教材的最新版本
- 1,500+ 疾病概要，快速获取常见疾病关键信息
- 85,000+张超清图片，支持PPT导出功能
- 850+ 视频，从放射影像、解剖操作演示到临床教学的相关影片
- 超过 40,000 道练习题： 7,200+基础医学练习题；17,500+临床医学练习题；16,000+美国执业医师资格考试；所有习题均有注释及解答，学生可自主选择练习或由教师指定；

有5人推荐了该数据库。如果你也想推荐该数据库，请填写下表。

向图书馆推荐该数据库

姓名

1.3 图书馆正式购买专业数据库—NEJM Evidence期刊

NEJM Evidence期刊

点击访问 我要推荐

访问链接： https://evidence.nejm.org/

试用时间： 2022年9月1日-2022年10月30日

使用方式： IP控制，无并发用户限制

NEJM Evidence期刊简介：

NEJM Evidence 创刊于 2022年，是 NEJM 第一本临床医学类的子刊，专注于循证医学，重点研究心血管，肿瘤以及传染病学方面的内容。该刊聚焦实验设计和统计分析，为医学生及医学科研人员提供严谨的结果分析，并采用动画短视频，解释重要的统计概念与方法。同时， NEJM Evidence 还是一个交流平台，医学研究者可以随时讨论实验结果或提出大胆的想法，同时，为患者提供临床体验或治疗感受的的交流服务。

NEJM Evidence继承NEJM集团严格的同行评审和质量标准，主要发布：

1. Original research, clinical trials，研究类论文，验证或质疑先前临床发现的原始研究、临床试验和其他临床基础工作（例如流行病学研究、首次人体试验、荟萃分析）。
2. Reviews，标准综述、系统综述和其他综述类型，将研究结果与背景联系起来，以加速临床采用新证据。
3. Case studies and reviews of clinical trial methodology，临床试验方法的案例研究和回顾，增强对试验优缺点的理解。
4. Curbside consult series，解决常见的患者护理问题。
5. Morning Report series，征求案例介绍文章，以晨报格式提交。

NEJM Evidence独特的内容包括：

1. Tomorrow’s Trial，一系列短篇文章强调缺乏确凿证据的公认实践结果，并邀请临床医生，读者提出临床试验以填补这些空白。
2. Patient Platform，在该平台中，参与临床试验、参与研究或其护理受到强烈影响的患者，分享他们对自己经历的想法。
3. Stats, STAT!，一段简短的动画视频，解释基于医学，生物统计回顾的统计概念。

还没有人推荐该数据库。如果你也想推荐该数据库，请填写下表。

向图书馆推荐该数据库

1.3 图书馆正式购买专业数据库——BMJ英国医学杂志平台

BMJ英国医学杂志平台

BMJ Journals（医学期刊类） BMJ Best Practice（临床实践类） 我要推荐

登录网址：

BMJ Journals（医学期刊类）：https://journals.bmj.com

BMJ Best Practice（临床实践类）：https://bestpractice.bmj.com

登录方式：校园IP范围内，自动识别登录。

试用时间：2022年4月1日——2022年6月30日

BMJ期刊介绍

BMJ Best Practice 临床实践中文在线版使用指南

数据库简介：

BMJ出版集团成立于1840年，直属于英国医学会，因其旗舰刊《英国医学杂志》（The British Medical Journal，简称The BMJ）而得名。作为世界一流的专业医学知识提供方，也是循证医学发起者和促进者，致力于帮助医生进行循证临床实践并改善医疗产出。

BMJ Journals

提供近70种医学期刊，其中近1/3在相关领域排名第一分区，除了全球影响力最大的旗舰刊《The BMJ》（影响因子39.89）之外，还包括《胃肠病》、《风湿病年鉴》、《英国运动医学杂志》、《胸腔》、《神经病学、神经外科学及精神病学杂志》、《BMJ 质量与安全》等。

BMJ Best Practice

全球最佳循证医学临床决策支持资源之一，提供权威、实用、简明的诊疗知识为临床决策提供即时支持，一站式获取最新医学知识，完成向临床工作的过度。同时，高质量的证据，可有效帮助实习生及医生优化治疗方案、减少医疗错误，并帮助医疗机构规范诊疗标准，保障服务质量。目前有中文和英文两个版本。

更多医学信息，欢迎关注微信公众号“BMJ医学”。

试用数据库的推荐

BMJ英国医学杂志平台

BMJ Journals（医学期刊类） BMJ Best Practice（临床实践类） 我要推荐

登录网址：

BMJ Journals（医学期刊类）：https://journals.bmj.com

BMJ Best Practice（临床实践类）：https://bestpractice.bmj.com

登录方式：校园IP范围内，自动识别登录。

试用时间：2022年4月1日——2022年6月30日

BMJ期刊介绍

BMJ Best Practice 临床实践中文在线版使用指南

数据库简介：

BMJ出版集团成立于1840年，直属于英国医学会，因其旗舰刊《英国医学杂志》（The British Medical Journal，简称The BMJ）而得名。作为世界一流的专业医学知识提供方，也是循证医学发起者和促进者，致力于帮助医生进行循证临床实践并改善医疗产出。

BMJ Journals

提供近70种医学期刊，其中近1/3在相关领域排名第一分区，除了全球影响力最大的旗舰刊《The BMJ》（影响因子39.89）之外，还包括《胃肠病》、《风湿病年鉴》、《英国运动医学杂志》、《胸腔》、《神经病学、神经外科学及精神病学杂志》、《BMJ 质量与安全》等。

BMJ Best Practice

全球最佳循证医学临床决策支持资源之一，提供权威、实用、简明的诊疗知识,为临床决策提供即时支持，一站式获取最新医学知识，完成向临床工作的过度。同时，高质量的证据，可有效帮助实习生及医生优化治疗方案、减少医疗错误，并帮助医疗机构规范诊疗标准，保障服务质量。目前有中文和英文两个版本。

更多医学信息，欢迎关注微信公众号“BMJ医学”。

有3人推荐了该数据库。如果你也想推荐该数据库，请填写下表。

向图书馆推荐该数据库

姓名

学号/工资号

1.3 图书馆正式购买专业数据库—BMJ Research to Publication（BMJ医学研究设计与医学论文发表）

BMJ Research to Publication（BMJ医学研究设计与医学论文发表）

点击访问 我要推荐

访问网址： https://new-learning.bmj.com/research-to-publication

试用时间： 2022年6月2日—2022年8月2日

使用指南

数据库简介

Research to Publication（简称RtoP）是BMJ出版 集团（BMJ）与加 州大学旧金山分校（UCSF）携手为医疗卫生领域研究人员，特别是刚开始从事科研的领域新秀，量身定制的医学研究设计与论文发表在线课程。旨在帮助研究人员提升科研能力并教会他们如 何更有效地在国际期刊上发表研究。

Research to Publication 不仅仅是教授如何撰写论文， 它的内容更加广泛而深入，按步指引学员洞悉医学研究的全过程，涵盖了医学研究设计到文章发表中的所有问 题，包括从发现优秀研究问题、确定最佳研究方法（根据研究所在地的实际情况），到报告研究结果、了解编辑和同行评审专家的真正需求等内容。所有学习内容都包含真实案例，包括在中低收入国家进行研究及发表文章的政策和案例分析。

不同于一般的科技论文写作培训， 本课程完全针对医学研究，由BMJ出版集团和UCSF临床与转化科学研究院合 作开发， 旨在帮助医学院校和其他科研机构建立自己的课程计划。

向BMJ Open投稿研究方案时，可以享受APC费用2.5折的优惠。

按照科研流程，该课共包含8门课程：

1. 确立一个好的研究题目
2. 为您的研究和发表树立良好起始
3. 选择最佳研究设计和研究方法
4. 确保符合研究伦理
5. 如何使自己的研究文章被认可和使用
6. 临床试验中的特殊考虑因素

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Complete Anatomy 3D解剖软件

Complete Anatomy 3D解剖软件

华为应用 | Vivo应用 | Apple store | Windows Store | 我要推荐

登录网址：

1、前往Apple store，Windows store，华为应用，Vivo应用中搜索Complete Anatomy下载iPhone，iPad，电脑端或安卓手机系统对应软件；

2、或通过以下链接：

Apple store: https://apps.apple.com/cn/app/id1309253074

Windows Store: https://www.microsoft.com/zh-cn/p/complete-anatomy-platform-2020/9nblggh40f2t?activetab=pivot:overviewtab

Windows离线安装包：https://completeanatomy.cn/zh-hans/windows-manual-installation?language=zh&region=cn&currency=CNY

请在Windows 10及以后版本安装使用

安卓版：

华为应用：https://url.cloud.huawei.com/gOCPo9DkYg

Vivo应用：https://h5coml.vivo.com.cn/h5coml/appdetail_h5/browser_v2/index.html?appId=3398280&resource=301&source=7

访问方式：建立个人或机构账号后，使用激活码激活使用权限。学生版激活码：**4PIJMAGA1BK2**，教师版激活码：**WGEG8WEG827P**

试用时间：即日起至2022年7月31日

资源库简介：

Complete Anatomy是爱思唯尔旗下的3D互动式人体解构平台，它来源于全新的Gray’s解剖书籍图谱，包括男性与女性不同的3D解剖模型，超过17000个人体结构，拥有肌肉运动模拟、骨骼映射及放射学功能，支持AR（增强现实）功能，以及拥有超过3000个互动式预设界面，150个小时的课程讲座和测验和1500个临床视频在内的教学内容。可基于手机、电脑和平板端使用，支持中英双语。

注册步骤：

1. 一定确保“位置”和“用户”，选择为“中国”和“否”，如下图：

1.3 图书馆正式购买专业数据库——Osmosis数据库

Osmosis数据库

注册账号 访问网址 我要推荐

登录网址：

1、请通过试用链接注册账号https://www.osmosis.org/cohort-invite?id=1540&k=uST9TPX5SICmEq0nUys1zEx8QCeuAsj0

2、访问网址www.osmosis.org/

访问方式：通过试用链接注册账号后，无限制访问。

试用时间：即日起至2022年7月31日

快速访问指引

Osmosis简易介绍2022

资源库简介：

为新一代临床医护人员提供沉浸式教学体验的综合性医学资源平台。基于课程教材及执业医师备考设计，囊括超过 1800 个医学主题视频，覆盖病理、生理、药理和临床实践等各类学科，整合逾 22000 道试题、记忆卡及随附精炼笔记，形成一站式医学学习备考体验。

1.3 图书馆正式购买专业数据库—Taylor & Francis医学期刊数据库

Taylor & Francis医学期刊数据库

点击访问 我要推荐

访问网址：http://www.tandfonline.com/

Taylor & Francis 的ST期刊数据库科大图书馆已经购买，正式提供师生使用。现在又开通医学期刊数据库给大家试用：

包含205种经过同行评审的医学学术期刊的当前内容、以及可追溯至1998年的回溯内容(视期刊所涵盖时间而定)，其中84%的期刊被汤森路透科学引文索引收录。覆盖内容从实验到临床，划分为4个主题：综合医疗与公共卫生、临床精神病学与神经科学、综合内科与口腔医学、药物学与毒理学。

涵盖以下30个关键领域的重要内容：生物技术；心脏病学；细胞生物学；口腔医学；皮肤医学与整形外科；残疾与康复；药物代谢与药物输送；内分泌学；肠胃病学；全科医学；血液学与肿瘤学；免疫学与风湿病学；传染性疾病；实验室医学；生命科学；医学教育；神经学与神经外科；护理学；妇产科医学；眼科学；骨科学；耳鼻喉科学；儿科学；药学；精神医学；放射学；呼吸医学；外科；毒理学；泌尿学与肾脏学。

有19人推荐了该数据库。如果你也想推荐该数据库，请填写下表。

向图书馆推荐该数据库

姓名

小结：

目录

1.1 馆购生物医学类专业数据库一入口

1.2 图书馆正式购买/试用 专业数据库目录

1.3 图书馆正式购买专业数据库介绍

1. 馆购生物医学类专业数据库

正式购买：

- AMA美国医学会
- Bentham Science 药学期刊全文数据库
- ClinicalKey全医学平台全库
- CSHL [美国冷泉港生物实验室]
- Faculty of 1000
- JoVE（实验视频期刊）
- NEJM新英格兰医学杂志
- SpringerProtocols实验室指南数据库
- Thieme journal
- Begell
- Cell Press
- CSD剑桥晶体数据库
- Handbook of Porphyrin Science
- Methods in Enzymology
- SciFinder

2. 常用生物信息学资源

试用库：

- ClinicalKey Student 精英医学教育数据库
- NEJM Evidence期刊
- BMJ英国医学杂志平台
- BMJ Research to Publication（BMJ医学研究设计与医学论文发表）
- Complete Anatomy 3D解剖软件
- Osmosis数据库
- Taylor & Francis医学期刊数据库

目录

1. 馆购生物医学类专业数据库

2. 常用生物信息学资源

2.1 常用生物信息学资源----生物信息学数据库概览

一、生物信息学数据库概览

- 序列数据库
- 结构数据库
- 图谱数据库
- 突变数据库
- 文献数据库

二、NCBI数据库简介：序列、结构、比对

2.1 常用生物信息学资源----生物信息学数据库概览

序列数据库：主要收录序列数据， 它是最基本的生物信息数据库。根据序列分子类型不同，又可分为:

- DNA序列数据库

如 GenBank (https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genbank/) 、ENA (https://www.ebi.ac.uk/ena/browser/home) 、DDBJ(https://www.ddbj.nig.ac.jp/index-e.html)等

- RNA序列数据库

如非编码RNA数据库 (The non-coding RNA database, ncRNAdb, http://biobases.ibch.poznan.pl/ncrna/) ,微小RNA数据库 (The micoRNA dabae, miRBase, https://www.mirbase.org/)等

- 蛋白序列数据库

如通用蛋白质资源 (The Universal Protein Resource,UniProt, https://www.uniprot.org/)等

- 基因组序列数据库

如酵母基因组数据库(The Saccharomyces Genome Database,SGD, https://www.yeastgenome.org/)、鼠基因组信息 (Mouse Genome Informatics, MGI, http://www.informatics.jax.org/)等。

2.1 常用生物信息学资源----生物信息学数据库概览

结构数据库：主要收录蛋白质、多肽的三维结构(X线和磁共振测定)以及酶、病毒、碳水化合物和核酸的晶体结构数据

- 蛋白质结构数据库

(The ProteinData Bank, PDB, https://www.rcsb.ong/)

- 核酸结构数据库

(the Nucleic Acid Database, NDB, http://ndbserver.rutgers.edu/)

- 剑桥结构数据 库(The Cambridge Structural Database, CSD, https://www.ccdc.cam.ac.uk/solutions/csd-core/components/csd/)等。

2.1 常用生物信息学资源----生物信息学数据库概览

图谱数据库：主要收录基因组图谱数据，如遗传图谐物理图请、转录图谱和序列图请

- 如 NCBI的基因组图谱(https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome)，EBI的Ensembl (https://asai.ensembl.org/index.html)、UCSC基因组浏览器数据库(The UCSC Genome Browser database, http://genome.ucsc.edu/)等。

突变数据库：主要收录 基因突变以及多态性数据,有综合性和特殊位点突变数据库两种

- 综 合性突变数据库收录多种类型突变或多态性数据，如单核苷酸多态性数据库(Database of single nucleotide polymophisms, dbSNP, https://www.ncbi.nlm.nih.gov/snp/)、人类基因突变数据库(Human Gene Mutation Databae ,HGMD, https://www.hgmd.cf.ac.uk/ac/index.php)等;特殊位点数据库主要收录某 一位点或某一 特殊类型的基因突变和多态性数据, 如人类肿瘤P53突变数据库(p53 Mutation in Human Cancer http://p53.fr/)、APC基因突变数据(http://umd.be/APC/)等。

2.1 常用生物信息学资源----生物信息学数据库概览

文献数据库：主要收录 各种与生物信息有关的文献

- 如PubMed(https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/)、在线人类孟德尔遗传数据库(Online Mendelian Inheritance in Man，OMIM, https://omim.org/)等。

2.2 常用生物信息学资源----几种生物信息学数据库介绍

核酸序列数据库：

- GenBank、ENA和DDBJ是目前最全面、规模最大的公共核酸序列数据库,收录当前所有已知的核酸序列及相关的文献和生物学注释，它们每天进行数据交换，以保持最新、最全的数据。

1. GenBank （https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genbank/)是由美国国家生 物技术信息中心(NCB)管理和维护大型综合性的公共核酸序列数据库,包括所有已知的核酸和蛋白质序列及其相关 的文献和生物学注释。GenBank 数据来源于约140 000个物种，其中26%是人类的基因组序列，所有序列中的20%是人类的EST序列。每条GenBank数据记录包含对序列的简要描述它的科学命名、物种分类名称、参考文献、序列特征表以及序列本身。序列特征表里包含对序列生物学特征注释,如编码区、转录单元、重复区城、突变位点、修饰位点等。数据记录被划分成若干个子库，如细菌类 (BCT)病毒类(VRL)、灵长类(PRI)、嘈齿类(ROD)以及EST数据.基因组序列数据(GSS)高通量，基因组序列数据(HTC)等10多类,其中EST数据等又被分成若干子库。可以从NCBI的FTP服务器上免费下载GenBank的数据以及积累的新数据，还提供数据查询、BLAST等数据分析服务。

The ENA is an ELIXIR Core Data Resource. Learn more.
European Nucleotide Archive (ENA) is part of the ELIXIR infrastructure
The ENA is a Worldwide Data Resource. Learn more.

2.2 常用生物信息学资源----几种生物信息学数据库介绍

核酸序列数据库：

- GenBank、ENA和DDBJ是目前最全面、规模最大的公共核酸序列数据库,收录当前所有已知的核酸序列及相关的文献和生物学注释，它们每天进行数据交换，以保持最新、最全的数据。

2. ENA （ European Nucleotide Archive (ENA) 核酸序列数据库（https://www.ebi.ac.uk/ena)是国际三大核酸序列数据库之一，由欧洲生物信息学研究所(EBI)管理和维护，主要收集欧洲的核酸序列数据。科研人员可以通过自由文本检索(free text search)、序列相似性检索(Sequence similarity search)查询检索其中的核酸序列数据或者FTP下载数据。

3. DDBJ(DNA Data Bank of Japan，日本核酸数据库，http://www.ddbj.nig.ac.jp/) 1987年，日本国家遗传学研究所(NIG)创建，主要收集亚洲地区的核酸数据。截止至2017年12月(111.0 版),共收录948 165 315条序列.802 943 314 196个碱基。DDBJ 主页提供ARSA 、TXSearch、BLAST、ClustalW等数据检索和分析工具，以及数据提交工具如核酸序列提交系统(Nuleotide Sequence Submission System, NSSS)、批量提交系统(Mass Submission System, MSS)等。

2.2 常用生物信息学资源----几种生物信息学数据库介绍

蛋白质序列数据库：

1. PIR（http://pir. georgetown. edu） 是一个支持基因组学、蛋白质组学和系统生物学研究的公共生物信息学资源。1984 年，由美国生物医学研究基金会（NBRF）创建。PIR-国际蛋白质序列数据库（PIR-international protein sequence database，PIR-PSD）是世界上第一个具有分类和功能注释的蛋白质序列数据库，由 PIR、慕尼黑蛋白质序列信息中心（Munich Information Center for Protein Sequences，MIPS）和日本国际蛋白质信息数据库（Japan International）共同维护。PIR 提供三种序列检索服务：基于文本的交互式检索；标准的序列相似性搜索，包括 BLAST、FASTA 等；结合序列相似性、注释信息和蛋白质家族信息的高级检索，包括按注释分类的相似性搜索、结构域搜索等。

2.2 常用生物信息学资源----几种生物信息学数据库介绍

蛋白质序列数据库：

2. UniProt（Universal Protein Resource,http://www. uniprot. org/） 是一个集中收录蛋白质资源并能与其他资源相互联系的数据库，也是目前为止收录蛋白质序列目录最广泛、功能注释最全面的一个数据库。UniProt 是由欧洲生物信息学研究所（European Bioinformatics Institute，EBI）、瑞士生物信息学研究所（Swiss Institute of Bioinformatics，SIB）以及美国蛋白质信息资源（Protein Information Resorce，PIR）三家机构共同组成的 UniProt 协会（UniProt Consortium）所创建的一个通用蛋白质资源数据库，旨在为从事现代生物研究的科研人员提供一个蛋白质序列及其相关功能方面的广泛的、高质量的并可免费使用的共享数据库。目前，UniProt 由 4 个主要成分组成：UniProt 知识库（UnoProt Knowledgebase，UnoProtKB）、UniProt 参考子集库（UnoProt Reference Clusters，UnoRef）、UniProt 文档库（UniPro Archive，UniParc）和 UniProt 宏基因组学与环境微生物序列数据库（Metagenomic and Environmental Sequence Database，UniMES），每一个都是针对不同应用而进行了优化。UniProt 是一个向所有使用者免费开放的数据库，科研人员可登录其网站在线检索或下载。

2.2 常用生物信息学资源----几种生物信息学数据库介绍

蛋白质序列数据库：

3. Swiss-Prot 数据库　由瑞士日内瓦大学与 EBI 于 1986 年创建，目前已合并入 UniProt 数据库，即 UniProtKB/Swiss-Prot，网址为 http://ebi.ac.uk/uniprot/，或直接访问 http://www.uniprot.org。Swiss-Prot 是高质量的、手工注释的、非冗余的蛋白质序列数据库，数据集涉及已知蛋白质的序列、引用文献信息、分类学信息、注释信息等，并与其他数据库建立了交叉引用，其中包括核酸序列库、蛋白质序列库和蛋白质结构库等。

TrEMBL 数据库作为 Swiss-Prot 的补充，是一个计算机注释的蛋白质数据库，主要包含了从核酸数据库中根据编码序列翻译而得到的蛋白质序列。现在 TrEMBL 数据库也已经合并入 Uniprot 数据库，即 UniProtKB/TrEMBL。

2.2 常用生物信息学资源----几种生物信息学数据库介绍

蛋白质结构数据库：

- 生物大分子三维空间结构数据库则是另一类重要的生物信息学数据库。20世纪90年代以来,越来越多的蛋白质分子结构被测定，蛋白质结构分类的研究不断深人，出现了蛋白质家族、折叠模式结构域、回环等数据库。

2.2 常用生物信息学资源----几种生物信息学数据库介绍

蛋白质结构数据库：

1. PDB(Protein Data Bank，https://www. rcsb. org) 是 1971 年创建的国际上最著名、最完整的蛋白质三维结构数据库。最先由美国 Brookhaven 国家实验室负责维护和管理，从 1998 年开始，由结构生物信息学合作研究协会(RCSB)负责管理。与 GenBank 序列数据库一样，科研人员可以通过网络直接向 PDB 数据库提交数据。

PDB 是目前最主要的蛋白质分子结构数据库。随着晶体衍射技术的不断改进，结构测定的速度和精度也逐步提高。90 年代以来，多维磁共振成像技术的成熟，使得那些难以结晶的蛋白质分子的结构测定成为可能。蛋白质分子结构数据库的数据量迅速上升。到 2017 年 12 月统计，PDB 数据库已经收录了利用 X 线衍射、NMR 实验数据或理论计算得出的蛋白质、多肽、蛋白质/核酸复合物、核酸及糖类等结构数据 137 322 条。这些数据由 RCSB 组织专业人员注释并向全世界免费公布。

PDB 数据库以文本文件格式存放数据，每条记录即是一个独立的文件，包括物种来源、化合物名称、原子坐标、结构提交者以及有关文献等基本注释信息。此外，还包括分辨率、结构因子，温度系数、主链数目、配体分子式、金属离子、二级结构信息、二硫键位置等和结构有关的数据。虽然用文字编辑软件可以查看 PDB 数据库的记录，但是无法直观地反映分子的空间结构。因此，RCSB 开发的基于 Web 的 PDB 数据库摘要显示系统，只显示主要信息。如需进一步了解其详细信息，或查询其他蛋白质结构信息资源，可以点击该页面左栏中的按钮，并将 RasMol、Cn3D 等分子结构软件集成在一起，具有数据分析和图形显示功能。

2.2 常用生物信息学资源----几种生物信息学数据库介绍

蛋白质结构数据库：

2. SCOP（Structural Classification of Proteins） 是英国医学研究委员会分子生物学实验室和蛋白质工程中心开发的基于 Web 的蛋白质结构数据库分类、检索和分析系统。SCOP 数据库将计算机程序自动检测和人工验证结合起来，将 PDB 数据库中的蛋白质按传统分类方法分成 α 型、β 型、α/β 型（α 螺旋和 β 折叠交替出现）、α+β 型（α 螺旋和 β 折叠连续出现），并将多结构域蛋白、膜蛋白和细胞表面蛋白、小蛋白单独分类，一共分成 7 大类型，并在此基础上，按折叠类型、超家族、家族三个层次逐级分类。对于具有不同种属来源的同源蛋白家族，SCOP 按种属名称将它们分成若干子类，一直到蛋白质分子的亚基。该数据库于 2009 年 1 月发行最后一版（1.75 版），不再更新。

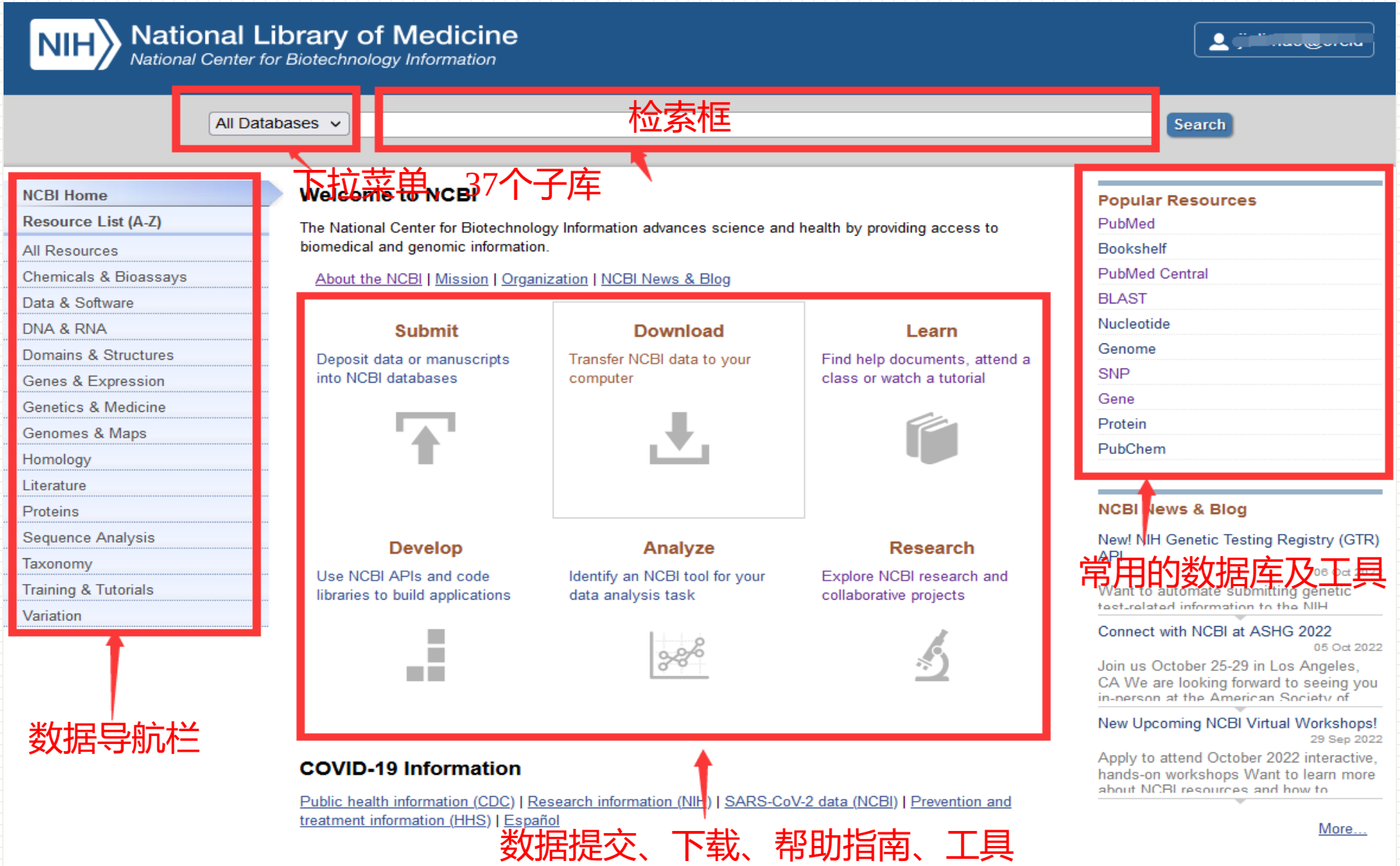
SCOP 累积数据和更新数据可以通过 SCOP2（http://scop2.mrc-lmb.cam.ac.uk/）和 SCOPe（http://scop.berkeley.edu/）获取，其中 SCOP2 对 SCOP 分类结构的呈现进行了显著性改变，采用有向无环图替代 SCOP 的树形结构，更加准确地表达蛋白质结构和进化关系，并且少量的蛋白质家族的表型可以获取。SCOPe 继续采用 SCOP 分类结构体系对数据进行维护和更新。

3. CATH（http://www.cathdb.info/） 是另一个著名的蛋白质分类数据库，包括类型（Class）、构架（Architecture）、拓扑结构（Topology）和同源性（Homology），由英国伦敦大学开发和维护。CATH 数据库的分类基础是蛋白质结构域（domains）。与 SCOP 不同的是，CATH 把蛋白质分为四类，即 α 为主类、β 为主类，α-β 类和亚二级结构类。目前 CATH 与 Gene3D 合并，推出 CATH 加强版，即 CATH-Plus（v4.2），涵盖了 9500 万蛋白质结构域，归类成 6119 个超家族。提供了基于文本词、ID、蛋白质序列和蛋白质结构的搜索。

2.3 常用生物信息学资源----数据库使用演示

NCBI数据库简介：序列、结构、比对

NCBI数据库主页简介



NCBI数据库子库分类

NCBI数据库子库分类

1、Literature

2、Genes

3、Proteins

4、BLAST

5、Genomes

6、Clinical

7、PubChem

NCBI数据库子库分类

Literature

PubMed

PubMed® comprises more than 34 m
from MEDLINE, life science journals, a
links to full text content from PubMed

Example searches Search for titles, cit

DOI: 10.1158/2159-8290.CD-21-0316
Kumon, Cell 2021
Database resources of the National C
Revealing protein-protein interactions
Principles of Biochemistry

Data

Genes

用作研究同源基
进化参考的基因

Gene sequences and annotations u
references for the study of ortholog
expression, and evolution

Gene
Collected information about gene loci

GEO DataSets
Functional genomics studies

收集的基因

GEO Profiles
Gene expression and molecular abundance

功能基因组学

基因表达和分子丰度分布

HomoloGene
Homologous genes sets for selected organisms

选定生物体的同源基因集

PopSet
Sequence sets from phylogenetic and population studies

系统发育和种群研究的序列集

Genomes

基因组序列组装、大规模功能基因组数据和源生物样本

Genome sequence assemblies, large-scale functional genomics data, and source biological samples

Assembly
Genome assembly information

BioCollections
Museum, herbaria, and other biorepository collections

BioProject
Biological projects providing data to NCBI

BioSample
Descriptions of biological source materials

Genome
Genome sequencing projects by organism

Nucleotide
DNA and RNA sequences

SRA
High-throughput sequence reads

Taxonomy
Taxonomic classification and nomenclature

Protein Family Models
Models representing homologous proteins with a
mmon function

具有共同功能的同源蛋白模型

Structure
Experimentally-determined biomolecular structures

实验确定的生物分子结构

Clinical

遗传性DNA变异、与人类病理学的关联以及临床诊断和治疗

Heritable DNA variations, associations with human pathologies, and clinical diagnostics and treatments

ClinicalTrials.gov
Privately and publicly funded clinical studies conducted around the world

在世界各地进行的私人和公共资助的临床研究

ClinVar
Human variations of clinical significance

dbGaP
Genotype/phenotype interaction studies

dbSNP
Short genetic variations

dbVar
Genome structural variation studies

GTR
Genetic testing registry

MedGen
Medical genetics literature and links

OMIM
Online mendelian inheritance in man

人的在线孟德尔遗传

tblastn
Search translated nucleotide databases using a protein query

使用蛋白质查询搜索翻译的核苷酸数据库

Primer-BLAST
Find primers specific to your PCR template

找到PCR模板特有的引物

PubChem

化学信息库、分子途径和生物活性筛选工具

Repository of chemical information, molecular pathways, and tools for bioactivity screening

BioAssays
Bioactivity screening studies

生物活性筛选研究

Compounds
Chemical information with structures, information and links

Pathways
Molecular pathways with links to genes, proteins and chemicals

与基因、蛋白质和化学物质相关的分子途径

Substances
Deposited substance and chemical information

2.3 常用生物信息学资源----数据库使用演示

- 例如我对人的基因P53感兴趣，想知道：

a) 该基因在哪条染色体上？

b) 该基因的功能是什么？

c) 该基因的DNA序列是什么？CDS序列？Porein序列是什么？

National Library of Medicine
National Center for Biotechnology Information

jielimao@orcid

Full Report

Send to:

Hide sidebar >>

TP53 tumor protein p53 [*Homo sapiens* (human)]

Download Datasets

Gene ID: 7157, updated on 9-Oct-2022

Summary

Official Symbol TP53 provided by HGNC
Official Full Name tumor protein p53 provided by HGNC
Primary source HGNC:HGNC:11998
See related Ensembl:ENSG00000141510 MIM:191170; AllianceGenome:HGNC:11998
Gene type protein coding
RefSeq status REVIEWED
Organism Homo sapiens
Lineage Eukaryota; Metazoa; Chordata; Craniata; Vertebrata; Euteleostomi; Mammalia; Eutheria; Euarchontoglires; Primates; Haplorrhini; Catarrhini; Hominidae; Homo
Also known as P53; BCC7; LFS1; BMFS5; TRP53
Summary This gene encodes a tumor suppressor protein containing transcriptional activation, DNA binding, and oligomerization domains. The encoded protein responds to diverse cellular stresses to regulate expression of target genes, thereby inducing cell cycle arrest, apoptosis, senescence, DNA repair, or changes in metabolism. Mutations in this gene are associated with a variety of human cancers, including hereditary cancers such as Li-Fraumeni syndrome. Alternative splicing of this gene and the use of alternate promoters result in multiple transcript variants and isoforms. Additional isoforms have also been shown to result from the use of alternate translation initiation codons from identical transcript variants (PMIDs: 12032546, 20937277). [provided by RefSeq, Dec 2016]
Expression Ubiquitous expression in spleen (RPKM 13.2), lymph node (RPKM 13.1) and 25 other tissues See more
Orthologs mouse all

NEW Try the new Gene table
Try the new Transcript table

See also 91 discontinued or replaced items.

Table of contents

Summary
Genomic context
Genomic regions, transcripts, and products
Expression
Bibliography
Phenotypes
Variation
HIV-1 interactions
Pathways from PubChem
Interactions
General gene information
Markers, Clone Names, Homology, Gene Ontology
General protein information
NCBI Reference Sequences (RefSeq)
Related sequences
Additional links
Locus-specific Databases

NCBI Reference Sequences (RefSeq)

NEW Try the new Transcript table

RefSeqs maintained independently of Annotated Genomes

These reference sequences exist independently of genome builds. Explain

Genomic

1. **NG_017013.2 RefSeqGene**

Range	5001..24149
Download	GenBank, FASTA, Sequence Viewer (Graphics), LRG_321

mRNA and Protein(s)

1. NM_000546.6 → NP_000537.3 **cellular tumor antigen p53 isoform a**

See identical proteins and their annotated locations for NP_000537.3

Status: REVIEWED

Description	Transcript Variant: This variant (1) can initiate translation from two in-frame AUG start codons. The isoform represented in this variant (a, also known as p53alpha) results from translation initiation at the upstream start codon. Both variants 1 and 2 encode isoform a, which is the longest isoform.
Source sequence(s)	AK223026, DA453049, X02469
Consensus CDS	CCDS11118.1
UniProtKB/Swiss-Prot	P04637, Q9UQ61
UniProtKB/TrEMBL	K7PPA8, Q53GA5
Related	ENSP00000269305.4, ENST00000269305.9

Conserved Domains (4) summary

cd08367 Location:109 → 288	P53; P53 DNA-binding domain
pfam18521 Location:35 → 59	TAD2; Transactivation domain 2
pfam07710 Location:319 → 355	P53_tetramer; P53 tetramerisation motif
pfam08563 Location:6 → 30	P53_TAD; P53 transactivation motif

FASTA

Send to:

Homo sapiens tumor protein p53 (TP53), transcript variant 1, mRNA

NCBI Reference Sequence: NM_000546.6

GenBank Graphics

```
>NM_000546.6 Homo sapiens tumor protein p53 (TP53), transcript
CTCAAAAGTCTAGAGCCACCGTCCAGGGAGCAGGTAGCTGCTGGGCTCCGGGGACACTTTGC
TGGGAGCGTGCTTTCCACGACGGTGACACGCTTCCCTGGATTGGCAGCCAGACTGCCTTCCG
CCATGGAGGAGCCGCAGTCAGATCCTAGCGTCGAGCCCCCTCTGAGTCAGGAAACATTTTCA
GAAACTACTTCCTGAAAACAACGTTCTGTCCCCCTTGCCGTCCCAAGCAATGGATGATTTGA
CCGGACGATATTGAACAATGGTTCACTGAAGACCCAGGTCCAGATGAAGCTCCCAGAATGCC
CTCCCCCCGTGGCCCCTGCACCAGCAGCTCCTACACCGGCGGCCCCTGCACCAGCCCCCTCC
GTCATCTTCTGTCCCTTCCCAGAAAACCTACCAGGGCAGCTACGGTTTCCGTCTGGGCTTCT
GGGACAGCCAAGTCTGTGACTTGCACGTACTCCCCTGCCCTCAACAAGATGTTTTGCCAACT
CCTGCCCTGTGCAGCTGTGGGTTGATTCCACACCCCCGCCCGGCACCCGCGTCCGCGCCATG
CAAGCAGTCACAGCACATGACGGAGGTTGTGAGGCGCTGCCCCCACCATGAGCGCTGCTCAG
GGTCTGGCCCCTCCTCAGCATCTTATCCGAGTGGAAGGAAATTTGCGTGTGGAGTATTTGGA
ACACTTTTCGACATAGTGTGGTGGTGCCCTATGAGCCGCCTGAGGTTGGCTCTGACTGTACC
CTACAACTACATGTGTAACAGTTCCTGCATGGGCGGCATGAACCGGAGGCCCATCCTCACCA
CTGGAAGACTCCAGTGGTAATCTACTGGGACGGAACAGCTTTGAGGTGCGTGTTTGTGCCTG
GAGACCGGCGCACAGAGGAAGAGAATCTCCGCAAGAAAGGGGAGCCTCACCACGAGCTGCCC
CACTAAGCGAGCACTGCCCAACAACACCAGCTCCTCTCCCCAGCCAAAGAAGAAACCACTGG
TATTTCACCCTTCAGATCCGTGGGCGTGAGCGCTTCGAGATGTTCCGAGAGCTGAATGAGGC
TCAAGGATGCCCAGGCTGGGAAGGAGCCAGGGGGGAGCAGGGCTCACTCCAGCCACCTGAAG
GGGTCAGTCTACCTCCCGCCATAAAAAACTCATGTTCAAGACAGAAGGGCCTGACTCAGACT
CCACTTCTTGTTCCCCACTGACAGCCTCCCACCCCCATCTCTCCCTCCCCTGCCATTTTGGG
CTTTGAACCCTTGCTTGCAATAGGTGTGCGTCAGAAGCACCCAGGACTTCCATTTGCTTTGT
TCCACTGAACAAGTTGGCCTGCACTGGTGTTTTGTTGTGGGGAGGAGGATGGGGAGTAGGACATACCAGC
TTAGATTTTAAGGTTTTTACTGTGAGGGATGTTTGGGAGATGTAAGAAATGTTCTTGCAGTTAAGGGTTA
GTTTACAATCAGCCACATTCTAGGTAGGGGCCCACTTCACCGTACTAACCAGGGAAGCTGTCCCTCACTG
TTGAATTTTCTCTAACTTCAAGGCCCATATCTGTGAAATGCTGGCATTTGCACCTACCTCACAGAGTGCA
TTGTGAGGGTTAATGAAATAATGTACATCTGGCCTTGAAACCACCTTTTATTACATGGGGTCTAGAACTT
GACCCCCTTGAGGGTGCTTGTTCCCTCTCCCTGTTGGTCGGTGGGTTGGTAGTTTCTACAGTTGGGCAGC
TGGTTAGGTAGAGGGAGTTGTCAAGTCTCTGCTGGCCCAGCCAAACCCTGTCTGACAACCTCTTGGTGAA
CCTTAGTACCTAAAAGGAAATCTCACCCCATCCCACACCCTGGAGGATTTCATCTCTTGTATATGATGAT
CTGGATCCACCAAGACTTGTTTTATGCTCAGGGTCAATTTCTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTT
TTCTTTGAGACTGGGTCTCGCTTTGTTGCCCAGGCTGGAGTGGAGTGGCGTGATCTTGGCTTACTGCAGC
CTTTGCCTCCCCGGCTCGAGCAGTCCTGCCTCAGCCTCCGGAGTAGCTGGGACCACAGGTTCATGCCACC
ATGGCCAGCCAACTTTTGCATGTTTTGTAGAGATGGGGTCTCACAGTGTTGCCCAGGCTGGTCTCAAACT
CCTGGGCTCAGGCGATCCACCTGTCTCAGCCTCCCAGAGTGCTGGGATTACAATTGTGAGCCACCACGTC
CAGCTGGAAGGGTCAACATCTTTTACATTCTGCAAGCACATCTGCATTTTCACCCCACCCTTCCCCTCCT
TCTCCCTTTTTATATCCCATTTTTATATCGATCTCTTATTTTACAATAAAACTTTGCTGCCA
```

Change region shown

- Whole sequence
- Selected region

from: 5001 to: 24149

Update View

Protein

Protein

Advanced

FASTA

cellular tumor antigen p53 isoform a [Homo sapiens]

NCBI Reference Sequence: NP_000537.3

GenPept Identical Proteins Graphics

```
>NP_000537.3 cellular tumor antigen p53 isoform a [Homo sapiens]
MEEPQSDPSVEPPLSQETFSDLWKLLPENNVLSPLPSQAMDDLMLSPDDIEQWFTEDPGPDEAPRMPEAA
PPVAPAPAAPTPAAPAPAPSWPLSSSVPSQKTYQGSYGFRLGFLHSGTAKSVTCTYSPALNKMFCQLAKT
CPVQLWVDSTPPPGTRVRAMAIYKQSQHMTEVVRRCPHHERCSDSDGLAPPQHLIRVEGNLRVEYLDDRN
TFRHSVVVPYEPPEVGSDCTTIHYNYMCNSSCMGGMNRRPILTIITLEDSSGNLLGRNSFEVRVCACPGR
DRRTEEENLRKKGEPHHELPPGSTKRALPNNTSSSPQPKKKPLDGEYFTLQIRGRERFEMFRELNEALEL
KDAQAGKEPGGSRAHSSHLKSKKGQSTSRHKKLMFKTEGPDSD
```

ble
ur). 2022]

ssion
cer. 2022]

HPV16-E6/E7 Oncogene Mutation and p53 Expression amo [Asian Pac J Cancer Prev. 2022]

See all...

TP53 tumor protein p53 [*Homo sapiens* (human)]

Download Datasets

Gene ID: 7157, updated on 9-Oct-2022

- Summary
- Genomic context
- Genomic regions, transcripts, and products
- Expression
- Bibliography
- Phenotypes
- Variation
- HIV-1 interactions
- Pathways from PubChem
- Interactions
- General gene information
- General protein information
- NCBI Reference Sequences (RefSeq)
- Related sequences
- Additional links

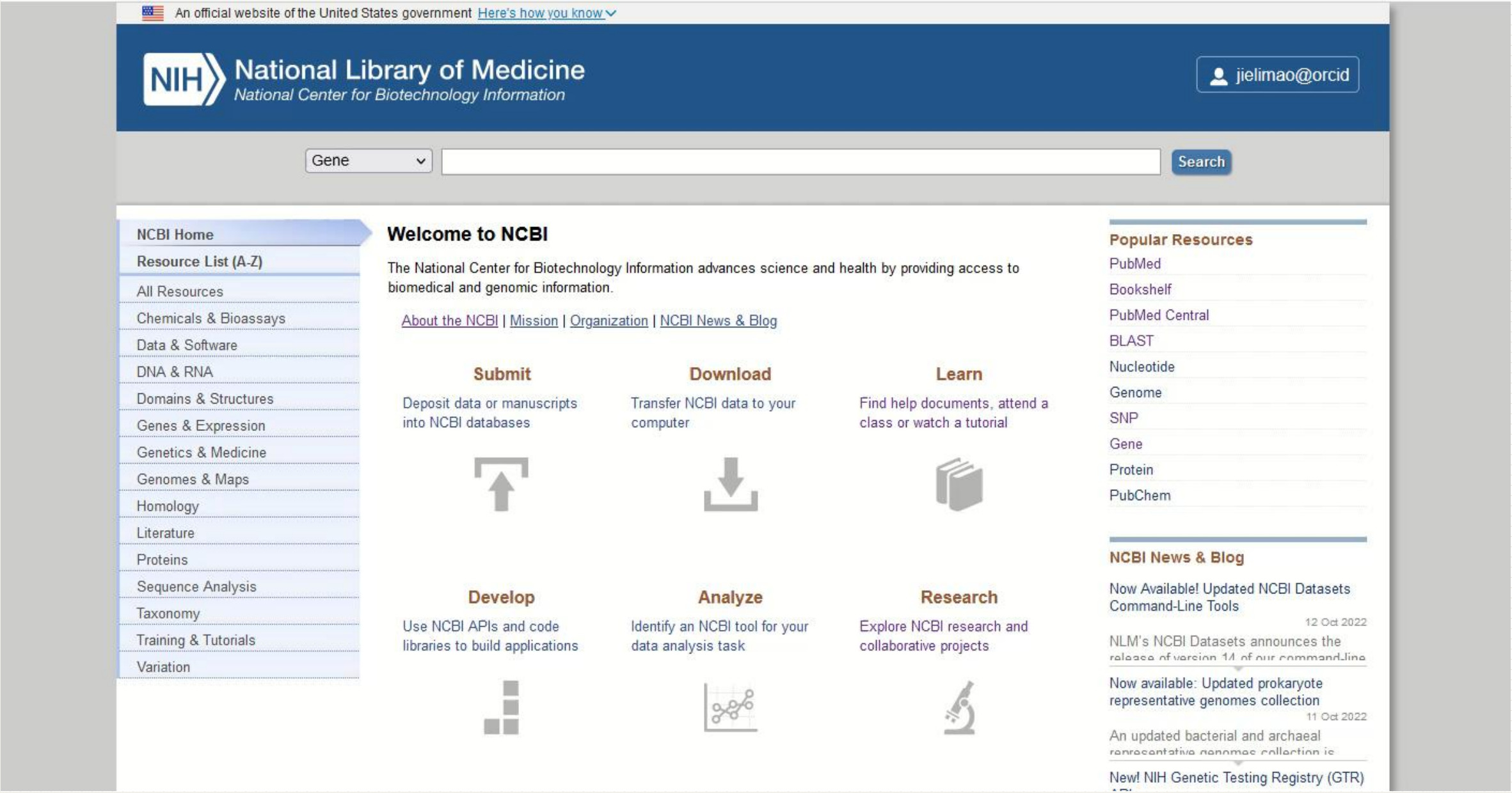
Table of contents

Summary
Genomic context
Genomic regions, transcripts, and products
Expression
Bibliography
Phenotypes
Variation
HIV-1 interactions
Pathways from PubChem
Interactions
General gene information
Markers, Clone Names, Homology, Gene Ontology
General protein information
NCBI Reference Sequences (RefSeq)
Related sequences
Additional links
Locus-specific Databases

Genome Browsers

Genome Data Viewer
Variation Viewer (GRCh37.p13)
Variation Viewer (GRCh38)
1000 Genomes Browser (GRCh37.p13)
Ensembl
UCSC

视频演示


An official website of the United States government Here's how you know
NIH
National Library of Medicine
National Center for Biotechnology Information
jielimao@orcid
Gene
Search
NCBI Home
Resource List (A-Z)
All Resources
Chemicals & Bioassays
Data & Software
DNA & RNA
Domains & Structures
Genes & Expression
Genetics & Medicine
Genomes & Maps
Homology
Literature
Proteins
Sequence Analysis
Taxonomy
Training & Tutorials
Variation
Welcome to NCBI
The National Center for Biotechnology Information advances science and health by providing access to biomedical and genomic information.
About the NCBI | Mission | Organization | NCBI News & Blog
Submit
Deposit data or manuscripts into NCBI databases
Download
Transfer NCBI data to your computer
Learn
Find help documents, attend a class or watch a tutorial
Develop
Use NCBI APIs and code libraries to build applications
Analyze
Identify an NCBI tool for your data analysis task
Research
Explore NCBI research and collaborative projects
Popular Resources
PubMed
Bookshelf
PubMed Central
BLAST
Nucleotide
Genome
SNP
Gene
Protein
PubChem
NCBI News & Blog
Now Available! Updated NCBI Datasets Command-Line Tools
12 Oct 2022
NLM's NCBI Datasets announces the
Now available: Updated prokaryote representative genomes collection
11 Oct 2022
An updated bacterial and archaeal
New! NIH Genetic Testing Registry (GTR)

Structure

An official website of the United States government Here's how you know

NIH National Library of Medicine
National Center for Biotechnology Information

All Databases | Search

NCBI Home
Resource List (A-Z)
All Resources
Chemicals & Bioassays
Data & Software
DNA & RNA
Domains & Structures
Genes & Expression

How to: View the 3D structure of a protein

Starting with...

A PDB CODE (e.g. 1B8G)

1. Go to the Structure Home Page.
2. Enter the PDB code in the search box and press the Go button.
3. Click a structure image to access its record page
4. Scroll to the molecular graphic section and click on the spin icon to load an interactive view of the structure within the web page. Alternatively, click on the launch icon to open the advanced (full feature) version of iCn3D, NCBI's web-based 3D structure viewer, in a separate window.

1B8G: 1-aminocyclopropane-1-carboxylate Synthase:1B8G:1-氨基环丙烷-1-羧酸合酶

视频演示

An official website of the United States government Here's how you know

NIH National Library of Medicine
National Center for Biotechnology Information

jielimao@orcid

Structure | Search

NCBI Home
Resource List (A-Z)
All Resources
Chemicals & Bioassays
Data & Software
DNA & RNA
Domains & Structures
Genes & Expression
Genetics & Medicine
Genomes & Maps
Homology
Literature
Proteins
Sequence Analysis
Taxonomy
Training & Tutorials
Variation

How to: View the 3D structure of a protein

Starting with...

A PDB CODE (e.g. 1B8G)

1. Go to the Structure Home Page.
2. Enter the PDB code in the search box and press the Go button.
3. Click a structure image to access its record page
4. Scroll to the molecular graphic section and click on the spin icon to load an interactive view of the structure within the web page. Alternatively, click on the launch icon to open the advanced (full feature) version of iCn3D, NCBI's web-based 3D structure viewer, in a separate window.

A PDB-FORMAT FILE THAT IS NOT IN PDB

1. Try out the new interactive 3D structure viewer, iCn3D.
2. Click "File" and select "Open File" > "PDB File".
3. Select the file, and click "Load".
4. The 3D view of the structure you have uploaded will now be displayed.

A PROTEIN ACCESSION NUMBER (e.g. NP_000240) OR SEQUENCE

1. Use the Finding a Structural Template guide to find the most appropriate PDB structure.
2. Continue with step 1 under "a PDB code" above.

FOLLOW NCBI

An official website of the United States government Here's how you know

NIH National Libra
National Center for Bio

All Database

NCBI Home
Resource List (A-Z)
All Resources
Chemicals & Bioassays
Data & Software
DNA & RNA
Domains & Structures
Genes & Expression
Genetics & Medicine
Genomes & Maps
Homology
Literature
Proteins
Sequence Analysis
Taxonomy
Training & Tutorials
Variation

Learn

NCBI creates a variety of educational products including courses, workshops, webinars, training materials and documentation. NCBI edu
educational materials are available for anyone to re-use and distribute.

Webinars & Courses

In-person courses, live webinars and webinar recordings

Conferences & Presentations

Booth exhibits and workshops at scientific conferences

Tutorials

Tutorials: Training materials in HTML, PDF and video formats

Documentation

Online manuals, handbooks, fact sheets and FAQs

Tutorials

Training materials in HTML, PDF and Video formats

Filter this table

Type	Title and Description
Video	**A Guide to NCBI: Gene Expression, Part 1** — External link. Please review our privacy policy. Part 1 of the gene expression module from "A Librarian's Guide to NCBI," a workshop held at the National Library of Medicine in April 2013
Video	**A Guide to NCBI: Gene Expression, Part 2** Part 2 of the gene expression module from "A Librarian's Guide to NCBI," a workshop held at the National Library of Medicine in April 2013
Video	**A Guide to NCBI: Gene Expression, Part 3** Part 3 of the gene expression module from "A Librarian's Guide to NCBI," a workshop held at the National Library of Medicine in April 2013
PDF	**Align 2 Sequences** Aligning two groups of sequences and displaying the results in the NCBI sequence viewer
Video	**Assign Downloaders for dbGaP Data** Learn how an authorized user of controlled-access data can assign a downloader role to someone in his/her institution
PDF	**Batch Data Download and Programmatic Access** Survey of methods for accessing NCBI data using FTP, Aspera and APIs
PDF	**BLAST Guide**

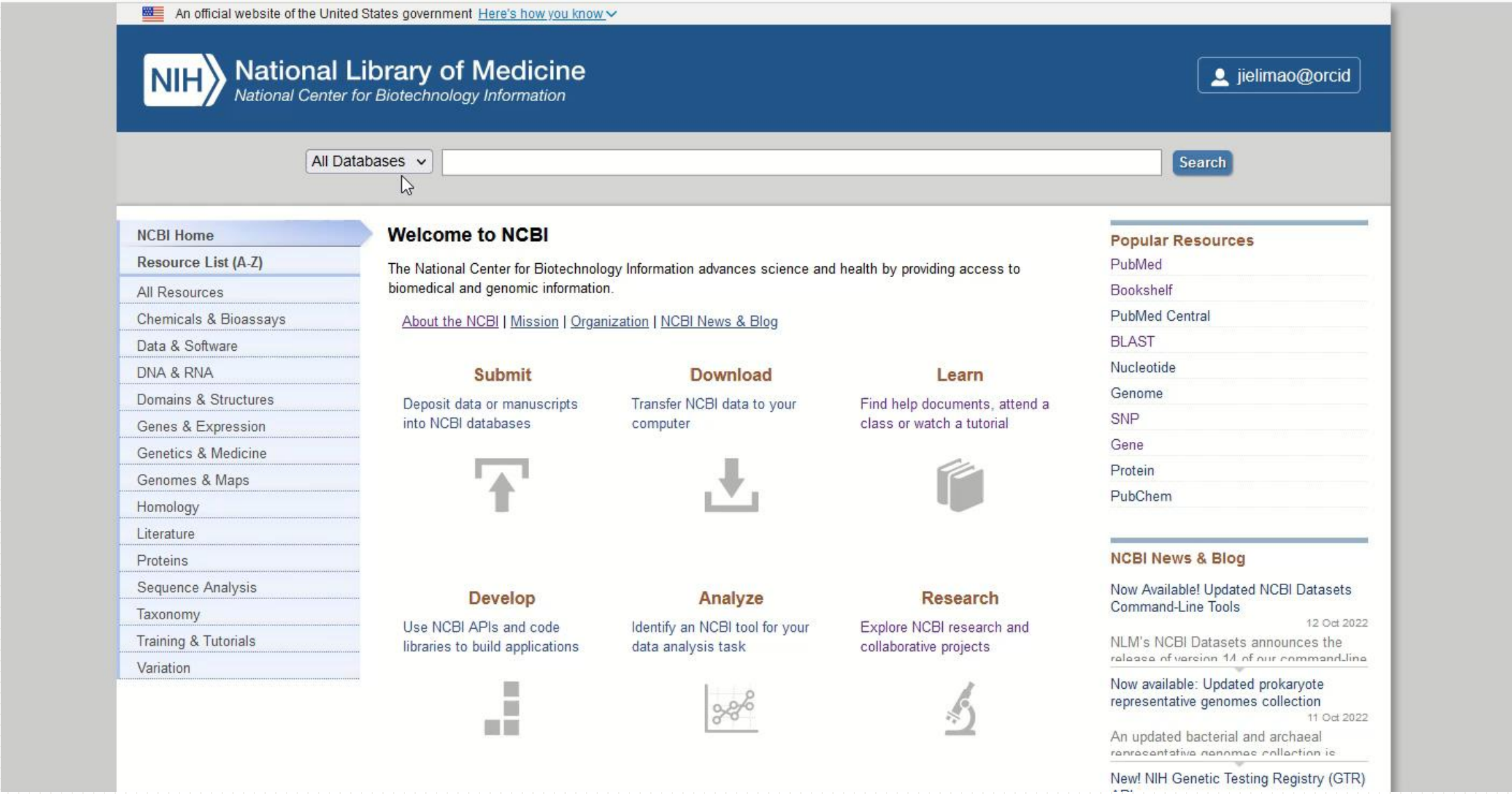
https://www.ncbi.nlm.nih.gov/home/tutorials/

5 minutes

练习②：在NCBI数据库中检索人的基因组信息

Homo sapiens

练习②：


An official website of the United States government Here's how you know
NIH National Library of Medicine
National Center for Biotechnology Information
jielimao@orcid
All Databases
Search
NCBI Home
Resource List (A-Z)
All Resources
Chemicals & Bioassays
Data & Software
DNA & RNA
Domains & Structures
Genes & Expression
Genetics & Medicine
Genomes & Maps
Homology
Literature
Proteins
Sequence Analysis
Taxonomy
Training & Tutorials
Variation
Welcome to NCBI
The National Center for Biotechnology Information advances science and health by providing access to biomedical and genomic information.
About the NCBI | Mission | Organization | NCBI News & Blog
Submit
Deposit data or manuscripts into NCBI databases
Download
Transfer NCBI data to your computer
Learn
Find help documents, attend a class or watch a tutorial
Develop
Use NCBI APIs and code libraries to build applications
Analyze
Identify an NCBI tool for your data analysis task
Research
Explore NCBI research and collaborative projects
Popular Resources
PubMed
Bookshelf
PubMed Central
BLAST
Nucleotide
Genome
SNP
Gene
Protein
PubChem
NCBI News & Blog
Now Available! Updated NCBI Datasets Command-Line Tools
12 Oct 2022
NLM's NCBI Datasets announces the
Now available: Updated prokaryote representative genomes collection
11 Oct 2022
An updated bacterial and archaeal
New! NIH Genetic Testing Registry (GTR)

RefSeq：经专家人工注释的、原始类型序列、是非冗余的、高质量的序列

- NC_数字：基因组序列
- NM_数字：mRNA序列
- NP_数字：蛋白序列
- NR_数字：非编码的RNA
- XM_数字： 计算机算法预测
- XR_数字： 计算机算法预测
- XP_数字： 计算机算法预测

持怀疑的态度对待数据库的一些数据

5 minutes

练习③：在NCBI数据库中检索人的胰岛素基因

Homo sapiens
insulin INS

https://www.ncbi.nlm.nih.gov/nuccore/NG_007114.1

National Library of Medicine
National Center for Biotechnology Information

Gene | Gene | insulin human
Create RSS Save

Gene sources
Genomic
Mitochondria
Organelles

Categories
Alternatively spliced
Annotated genes
Non-coding
Protein-coding
Pseudogene

Sequence content
CCDS
Ensembl
RefSeq
RefSeqGene

Status clear
Current

Clear all

Show additional filters

Tabular 20 per page So

GENE
INS – insulin
Homo sapiens (human)
Also known as: IDDM, I
Gene ID: 3630
RefSeq transcripts (4)
Orthologs Gen

RefSeq Sequences

Search results
Items: 1 to 20 of 23247
See also 100 discontinue

National Library of Medicine

Nucleoti

Species
Animals (2)
Customize

Molecule ty
genomic DN
Customize

Source dat
RefSeq (2)
Customize

Sequence T
Nucleotide

Sequence l
Custom ran

Release da
Custom ran

GenBank Send to:

Homo sapiens insulin (INS), RefSeqGene on chromosome 11

NCBI Reference Sequence: NG_007114.1
FASTA Graphics

Go to:

```
LOCUS       NG_007114               8416 bp    DNA     linear   PRI 22-AUG-2022
DEFINITION  Homo sapiens insulin (INS), RefSeqGene on chromosome 11.
ACCESSION   NG_007114
VERSION     NG_007114.1
KEYWORDS    RefSeq; RefSeqGene.
SOURCE      Homo sapiens (human)
  ORGANISM  Homo sapiens
            Eukaryota; Metazoa; Chordata; Craniata; Vertebrata; Euteleostomi;
            Mammalia; Eutheria; Euarchontoglires; Primates; Haplorrhini;
            Catarrhini; Hominidae; Homo.
REFERENCE   1  (bases 1 to 8416)
  AUTHORS   Kralovicova J and Vorechovsky I.
  TITLE     Allele-specific recognition of the 3' splice site of INS intron 1
  JOURNAL   Hum Genet 128 (4), 383-400 (2010)
   PUBMED   20628762
REFERENCE   2  (bases 1 to 8416)
  AUTHORS   Stead JD, Hurles ME and Jeffreys AJ.
  TITLE     Global haplotype diversity in the human insulin gene region
  JOURNAL   Genome Res 13 (9), 2101-2111 (2003)
   PUBMED   12952878
REFERENCE   3  (bases 1 to 8416)
  AUTHORS   Naylor,R., Knight Johnson,A. and del Gaudio,D.
  TITLE     Maturity-Onset Diabetes of the Young Overview
  JOURNAL   (in) Adam MP, Everman DB, Mirzaa GM, Pagon RA, Wallace SE, Bean
            LJH, Gripp KW and Amemiya A (Eds.);
            GENEREVIEWS((R));
            (1993)
```

Change region shown

Customize view

Analyze this sequence
Run BLAST
Pick Primers
Highlight Sequence Features
Find in this Sequence

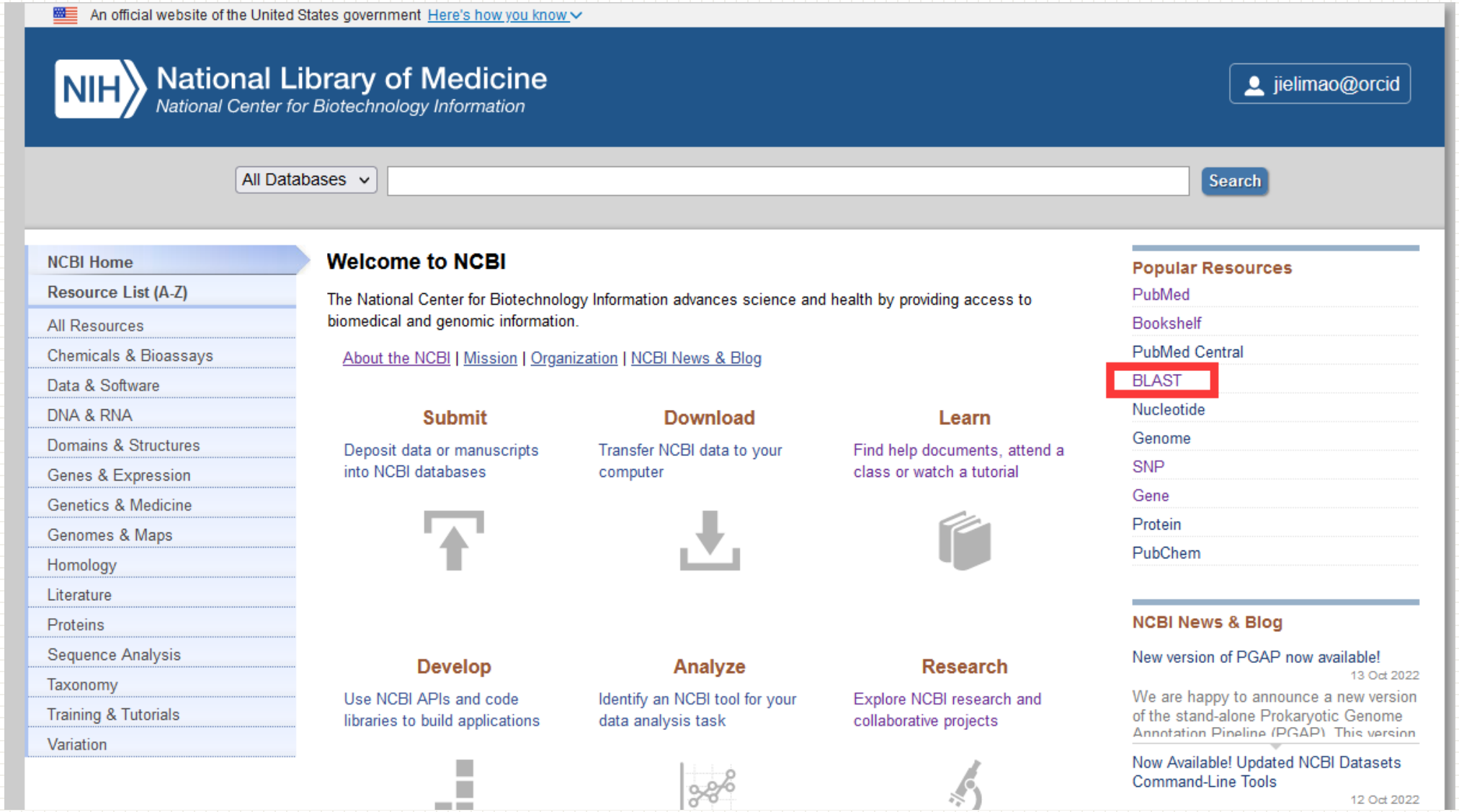
Articles about the INS gene
Insulin Directs Dichotomous Translational Regulation to Control Humar [Int J Biol Sci. 2022]
Comparison of Quality of Carbohydrate Metrics Related to Fasting Insulin, Glyc [Nutrients. 2022]
Participation of Magnesium in the Secretion and Signaling Pathways [Biol Trace Elem Res. 2022]
See all...

Reference sequence information
RefSeq alternative splicing
See 4 reference mRNA sequence splice variants for the INS gene.

More about the INS gene

BLAST

BLAST全称Basic Local Alignment Search Tool ，即基于局部序列比对算法的搜索工具。是一套生物大分子一级结构序列比对程序。



National Library of Medicine
National Center for Biotechnology Information

jielimao@orcid

BLAST ®

Home Recent Results Saved Strategies Help

Basic Local Alignment Search Tool

BLAST finds regions of similarity between biological sequences. The program compares nucleotide or protein sequences to sequence databases and calculates the statistical significance.

Learn more

NEWS

BLAST+ 2.13.0 is here!

Starting with this release, we are including the blastn_vdb and tblastn_vdb executables in the BLAST+ distribution.

Thu, 17 Mar 2022 12:00:00 EST

More BLAST news...

Web BLAST

Nucleotide BLAST
nucleotide ▶ nucleotide

blastx
translated nucleotide ▶ protein

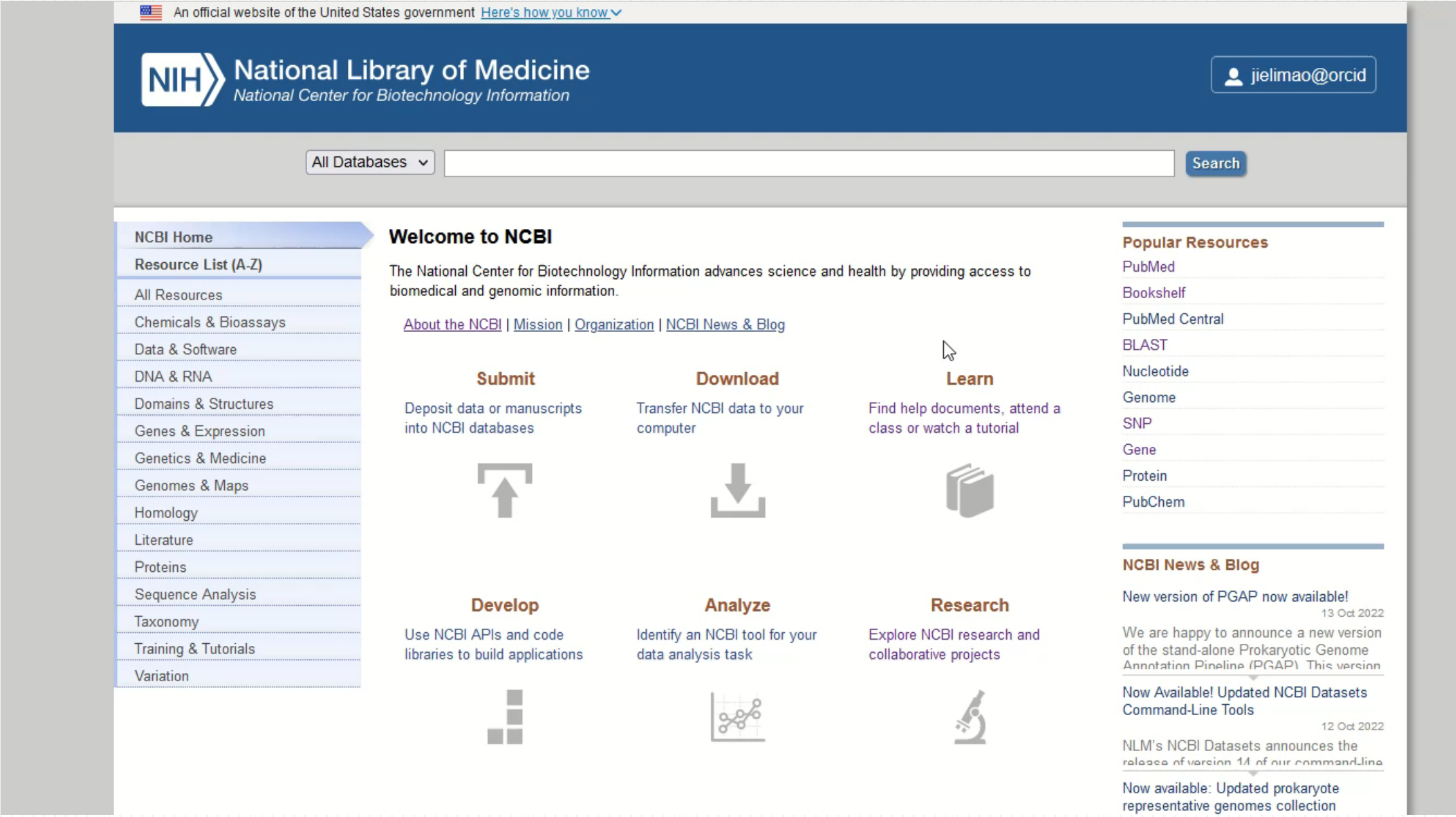
tblastn
protein ▶ translated nucleotide

Protein BLAST
protein ▶ protein

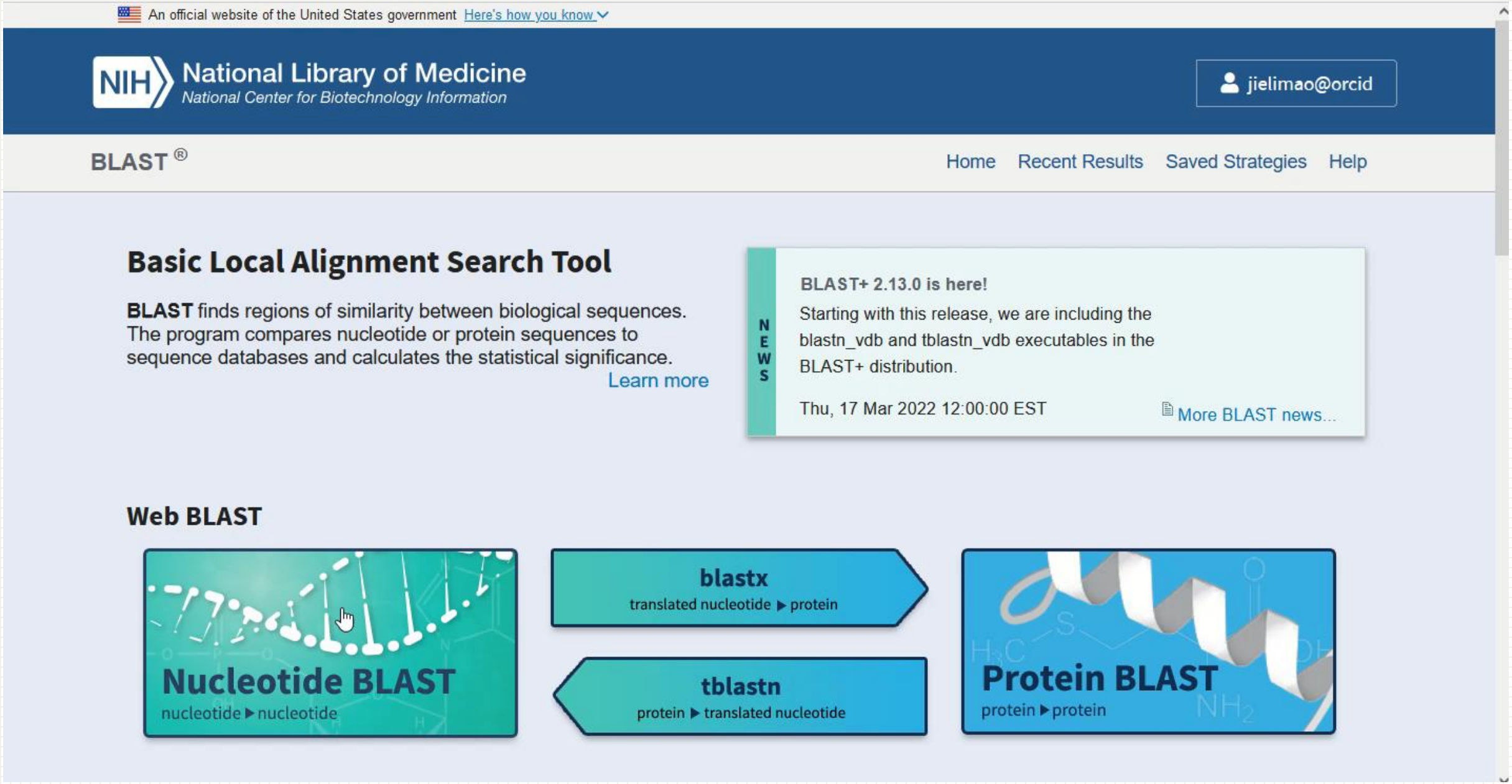
BLAST方式

- **核酸序列对核酸序列库比对（blastn）**：直接将输入的核酸序列与数据库中的核酸序列进行比对。
- **蛋白质序列对蛋白质序列库比对（blastp）**：直接将输入的蛋白质氨基酸序列与数据库中的氨基酸序列进行比对。
- **核酸序列对蛋白质序列库比对（blastx）**：自动将输入的核酸序列翻译为蛋白质氨基酸序列后（根据可能的读码框和编码链的差别，一段核酸序列可能翻译为六种氨基酸序列），比对数据库中的蛋白质序列。
- **蛋白序列对核酸序列库比对（tblastn）**：将输入的蛋白质氨基酸序列，与由核酸数据库中的序列翻译而来的潜在的蛋白质氨基酸序列进行比对。
- **核酸序列的翻译序列对核酸序列库的翻译序列的比对（tblastx）**：自动将输入的核酸序列翻译为蛋白质氨基酸序列后，与由核酸数据库中的序列翻译而来的潜在的蛋白质氨基酸序列进行比对。

视频演示


An official website of the United States government Here's how you know
NIH National Library of Medicine
National Center for Biotechnology Information
jielimao@orcid
All Databases
Search
NCBI Home
Resource List (A-Z)
All Resources
Chemicals & Bioassays
Data & Software
DNA & RNA
Domains & Structures
Genes & Expression
Genetics & Medicine
Genomes & Maps
Homology
Literature
Proteins
Sequence Analysis
Taxonomy
Training & Tutorials
Variation
Welcome to NCBI
The National Center for Biotechnology Information advances science and health by providing access to biomedical and genomic information.
About the NCBI | Mission | Organization | NCBI News & Blog
Submit
Deposit data or manuscripts into NCBI databases
Download
Transfer NCBI data to your computer
Learn
Find help documents, attend a class or watch a tutorial
Develop
Use NCBI APIs and code libraries to build applications
Analyze
Identify an NCBI tool for your data analysis task
Research
Explore NCBI research and collaborative projects
Popular Resources
PubMed
Bookshelf
PubMed Central
BLAST
Nucleotide
Genome
SNP
Gene
Protein
PubChem
NCBI News & Blog
New version of PGAP now available!
13 Oct 2022
We are happy to announce a new version of the stand-alone Prokaryotic Genome Annotation Pipeline (PGAP). This version
Now Available! Updated NCBI Datasets Command-Line Tools
12 Oct 2022
NLM's NCBI Datasets announces the release of version 14 of our command-line
Now available: Updated prokaryote representative genomes collection

视频演示：两段核苷酸序列之间的相似性、突变情况……



2.1 常用生物信息学资源----生物信息学数据库概览

一、生物信息学数据库概览

- 序列数据库
- 结构数据库
- 图谱数据库
- 突变数据库
- 文献数据库

二、NCBI数据库简介：序列、结构、比对

THANKS!